



Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Jun 5, 2023 – 12:57 PM JST

PDB ID : 5Y95
Title : Haddock model of mSIN3B PAH1 domain
Authors : Kurita, J.; Hirao, Y.; Nishimura, Y.
Deposited on : 2017-08-22

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4.02b-467
Mogul : 1.8.5 (274361), CSD as541be (2020)
buster-report : 1.1.7 (2018)
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.33

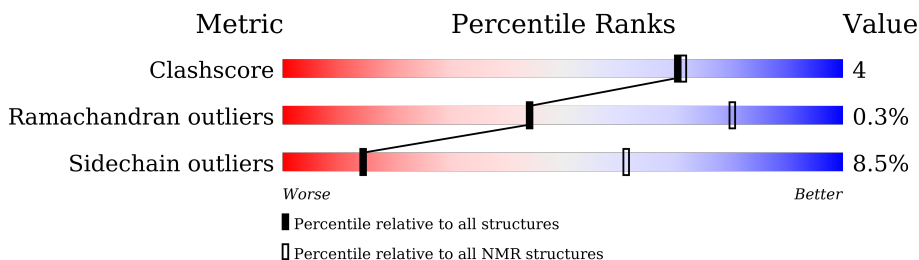
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 8%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	80	92% . 5%

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 10 models. Model 7 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:29-A:104 (76)	0.76	7

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters. No single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 6, 8, 9, 10
2	3, 4, 7
3	2, 5

3 Entry composition

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 1227 atoms, of which 588 are hydrogens and 0 are deuteriums.

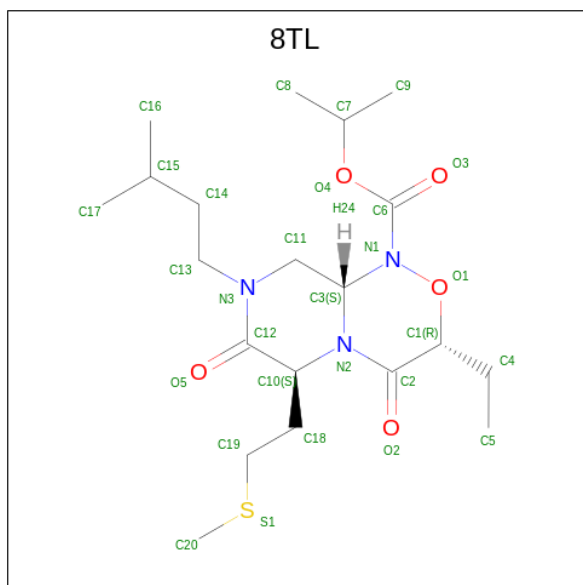
- Molecule 1 is a protein called Paired amphipathic helix protein Sin3b.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	80	1198	387	588	103	119	1	0

There are 13 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	25	GLY	-	expression tag	UNP Q62141
A	26	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	27	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	28	GLY	-	expression tag	UNP Q62141
A	29	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	30	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	31	GLY	-	expression tag	UNP Q62141
A	99	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	100	GLY	-	expression tag	UNP Q62141
A	101	PRO	-	expression tag	UNP Q62141
A	102	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	103	SER	-	expression tag	UNP Q62141
A	104	GLY	-	expression tag	UNP Q62141

- Molecule 2 is propan-2-yl (3R,6S,9aS)-3-ethyl-8-(3-methylbutyl)-6-(2-methylsulfanylethyl)-4,7-bis(oxidanylidene)-9,9a-dihydro-6H-pyrazino[2,1-c][1,2,4]oxadiazine-1-carboxylate (three-letter code: 8TL) (formula: C₂₀H₃₅N₃O₅S).



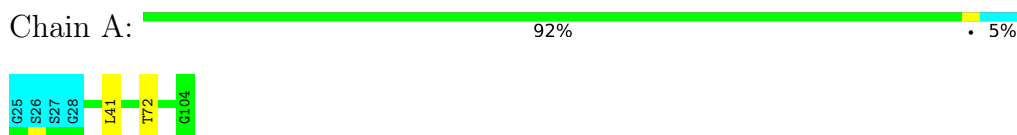
Mol	Chain	Residues	Atoms				
			Total	C	N	O	S
2	A	1	29	20	3	5	1

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b

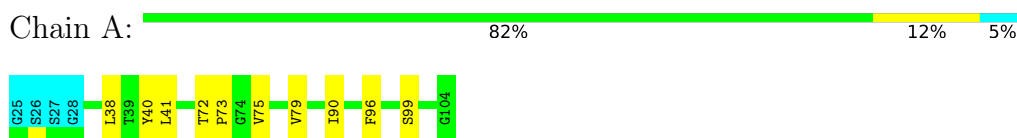


4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

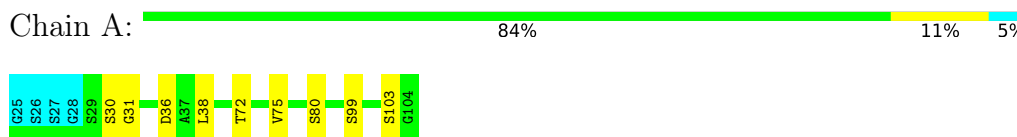
4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



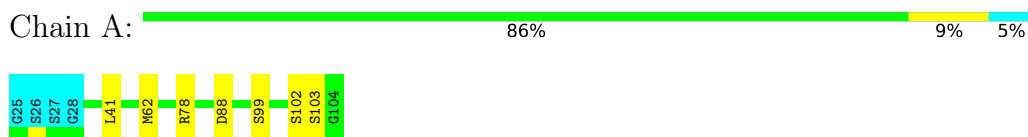
4.2.2 Score per residue for model 2

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



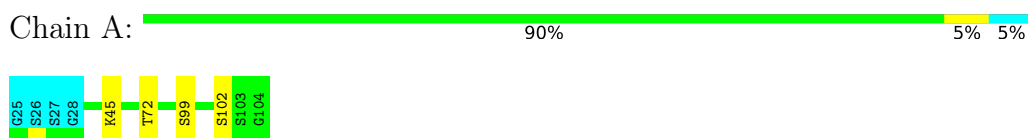
4.2.3 Score per residue for model 3

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



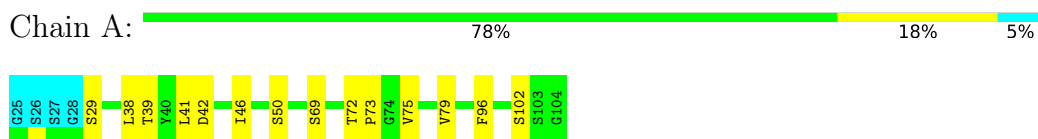
4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



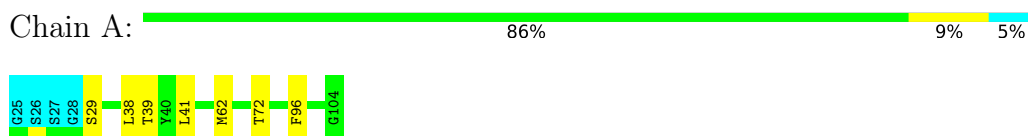
4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



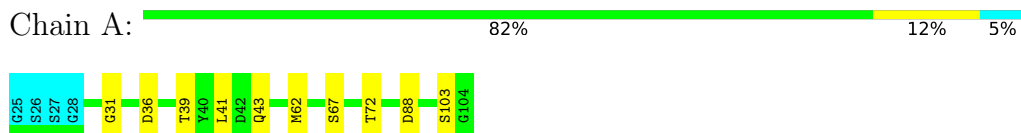
4.2.6 Score per residue for model 6

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



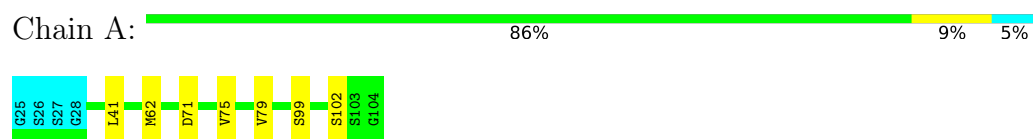
4.2.7 Score per residue for model 7 (medoid)

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



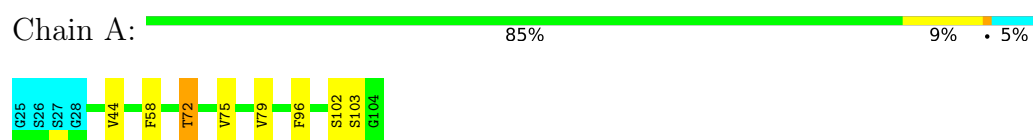
4.2.8 Score per residue for model 8

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



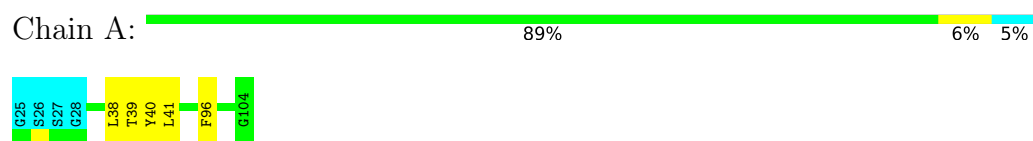
4.2.9 Score per residue for model 9

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



4.2.10 Score per residue for model 10

- Molecule 1: Paired amphipathic helix protein Sin3b



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *molecular dynamics*.

Of the 200 calculated structures, 10 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
HADDOCK	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	77
Number of shifts mapped to atoms	77
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	8%

6 Model quality

6.1 Standard geometry

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section:
8TL

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	590	572	572	2±2
2	A	29	0	0	3±1
All	All	6190	5720	5720	43

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 4.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
2:A:201:8TL:O3	2:A:201:8TL:C11	0.78	2.31	8	10
2:A:201:8TL:C14	2:A:201:8TL:O5	0.64	2.45	7	3
1:A:79:VAL:HG21	2:A:201:8TL:C8	0.51	2.36	8	1
1:A:72:THR:O	1:A:75:VAL:HG12	0.49	2.08	2	2
1:A:75:VAL:O	1:A:79:VAL:HG23	0.48	2.09	1	3
2:A:201:8TL:C11	2:A:201:8TL:C18	0.48	2.91	10	8
1:A:42:ASP:O	1:A:46:ILE:HG13	0.46	2.11	5	1
2:A:201:8TL:O3	2:A:201:8TL:C9	0.44	2.60	10	6
1:A:39:THR:O	1:A:43:GLN:HG2	0.42	2.15	7	1
2:A:201:8TL:O5	2:A:201:8TL:C14	0.42	2.67	8	1
1:A:79:VAL:HG12	1:A:90:ILE:HG12	0.42	1.91	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:44:VAL:HG21	1:A:58:PHE:CZ	0.41	2.50	9	1
1:A:72:THR:HB	1:A:73:PRO:CD	0.41	2.46	1	1
1:A:40:TYR:HB3	2:A:201:8TL:C4	0.41	2.45	1	1
1:A:72:THR:N	1:A:73:PRO:HD2	0.41	2.31	5	1
1:A:75:VAL:HG22	2:A:201:8TL:C9	0.41	2.46	8	1
1:A:38:LEU:H	1:A:38:LEU:HD23	0.40	1.77	5	1

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	75/80 (94%)	70±1 (93±1%)	5±1 (7±1%)	0±0 (0±1%)	44 80
All	All	750/800 (94%)	696 (93%)	52 (7%)	2 (0%)	44 80

All 1 unique Ramachandran outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	31	GLY	2

6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	66/68 (97%)	60±1 (92±2%)	6±1 (8±2%)	14 61
All	All	660/680 (97%)	604 (92%)	56 (8%)	14 61

All 21 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	41	LEU	7
1	A	96	PHE	5
1	A	99	SER	5
1	A	102	SER	5
1	A	38	LEU	4
1	A	103	SER	4
1	A	62	MET	4
1	A	72	THR	4
1	A	39	THR	3
1	A	36	ASP	2
1	A	88	ASP	2
1	A	29	SER	2
1	A	30	SER	1
1	A	80	SER	1
1	A	78	ARG	1
1	A	45	LYS	1
1	A	50	SER	1
1	A	69	SER	1
1	A	67	SER	1
1	A	71	ASP	1
1	A	40	TYR	1

6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

1 ligand is modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds that are observed in the model and the number of bonds that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types,

if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond lengths.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Counts	Bond lengths	
						RMSZ	#Z>2
2	8TL	A	201	-	25,30,30	1.34±0.02	4±0 (16±0%)

In the following table, the Counts columns list the number of angles for which Mogul statistics could be retrieved, the number of angles that are observed in the model and the number of angles that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond angle is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond angle with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond angles.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Counts	Bond angles	
						RMSZ	#Z>2
2	8TL	A	201	-	27,42,42	2.26±0.03	8±0 (28±1%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the chemical component dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	8TL	A	201	-	-	0±0,19,55,55	0±0,1,2,2

All unique bond outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)	Models	
								Worst	Total
2	A	201	8TL	O1-N1	3.36	1.38	1.43	10	10
2	A	201	8TL	C2-N2	3.20	1.40	1.35	7	10
2	A	201	8TL	C6-N1	2.82	1.33	1.39	4	10
2	A	201	8TL	C12-N3	2.39	1.40	1.35	9	10

All unique angle outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

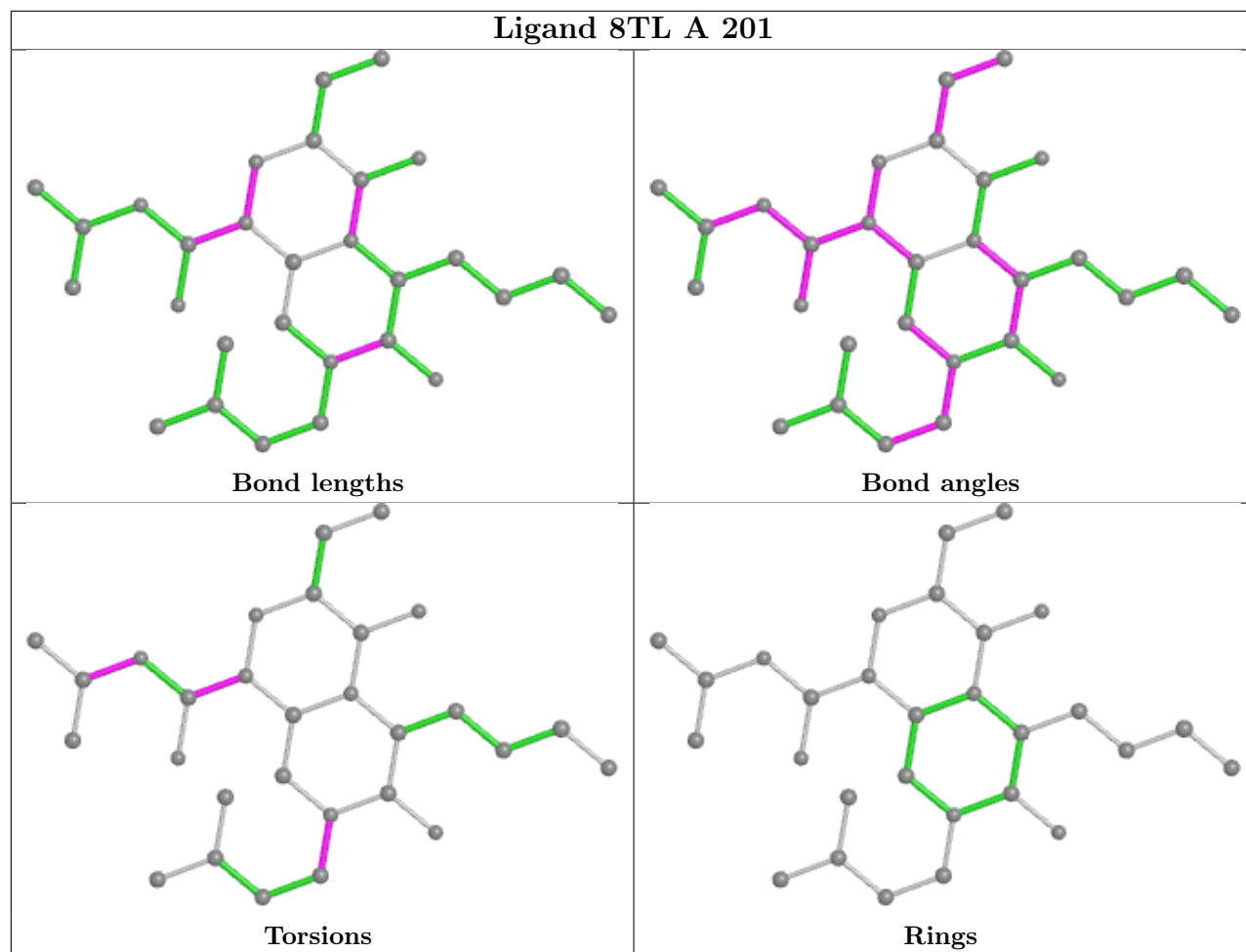
Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)	Models	
								Worst	Total
2	A	201	8TL	O4-C6-N1	5.16	119.60	110.23	1	10
2	A	201	8TL	C7-O4-C6	4.86	109.82	116.75	8	10
2	A	201	8TL	O1-N1-C3	4.85	123.31	108.44	10	10
2	A	201	8TL	C12-C10-N2	4.52	103.29	112.29	10	10
2	A	201	8TL	C13-N3-C11	4.42	121.34	116.88	2	10
2	A	201	8TL	C14-C13-N3	3.44	109.02	112.41	4	10
2	A	201	8TL	O4-C6-O3	2.39	119.81	124.86	6	10
2	A	201	8TL	C5-C4-C1	2.15	110.82	113.37	10	6
2	A	201	8TL	C3-C11-N3	2.01	113.58	111.02	7	1

There are no chirality outliers.

There are no torsion outliers.

There are no ring outliers.

The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less than 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.



6.7 Other polymers [\(i\)](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [\(i\)](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation i

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 8% for the well-defined parts and 7% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *mSin3B2.str*

7.1.1 Bookkeeping i

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	77
Number of shifts mapped to atoms	77
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	0

7.1.2 Chemical shift referencing i

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	0	—	None (insufficient data)
$^{13}\text{C}_\beta$	0	—	None (insufficient data)
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	38	1.44 \pm 0.46	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments i

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 8%, i.e. 77 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1009. 0 out of 12 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	77/377 (20%)	39/154 (25%)	0/152 (0%)	38/71 (54%)
Sidechain	0/533 (0%)	0/348 (0%)	0/168 (0%)	0/17 (0%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Aromatic	0/99 (0%)	0/50 (0%)	0/46 (0%)	0/3 (0%)
Overall	77/1009 (8%)	39/552 (7%)	0/366 (0%)	38/91 (42%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 7%, i.e. 77 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1037. 0 out of 12 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Backbone	77/399 (19%)	39/164 (24%)	0/160 (0%)	38/75 (51%)
Sidechain	0/539 (0%)	0/352 (0%)	0/170 (0%)	0/17 (0%)
Aromatic	0/99 (0%)	0/50 (0%)	0/46 (0%)	0/3 (0%)
Overall	77/1037 (7%)	39/566 (7%)	0/376 (0%)	38/95 (40%)

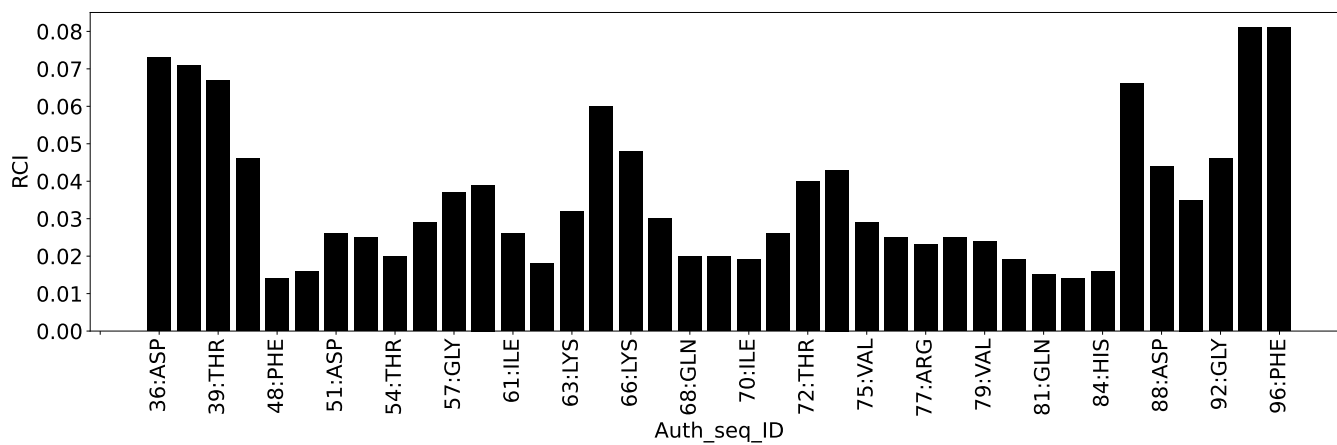
7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

There are no statistically unusual chemical shifts.

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	6
Intra-residue ($ i-j =0$)	0
Sequential ($ i-j =1$)	0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	0
Long range ($ i-j \geq 5$)	6
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	6
Number of restraints per residue	0.1
Number of long range restraints per residue ¹	0.1

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	None	None
0.2-0.5 (Medium)	None	None
>0.5 (Large)	6.0	12.16

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation. There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis

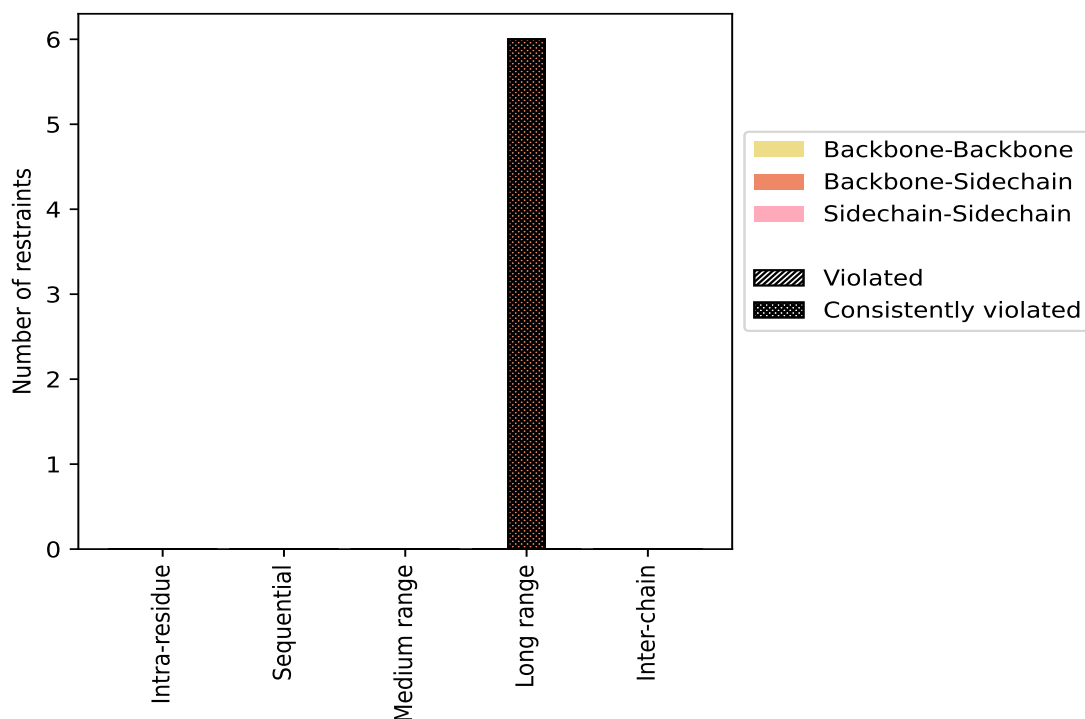
9.1 Summary of distance violations

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue (i-j =0)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sequential (i-j =1)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Medium range (i-j >1 & i-j <5)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Long range (i-j ≥5)	6	100.0	6	100.0	100.0	6	100.0	100.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	6	100.0	6	100.0	100.0	6	100.0	100.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	6	100.0	6	100.0	100.0	6	100.0	100.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	6	100.0	6	100.0	100.0	6	100.0	100.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

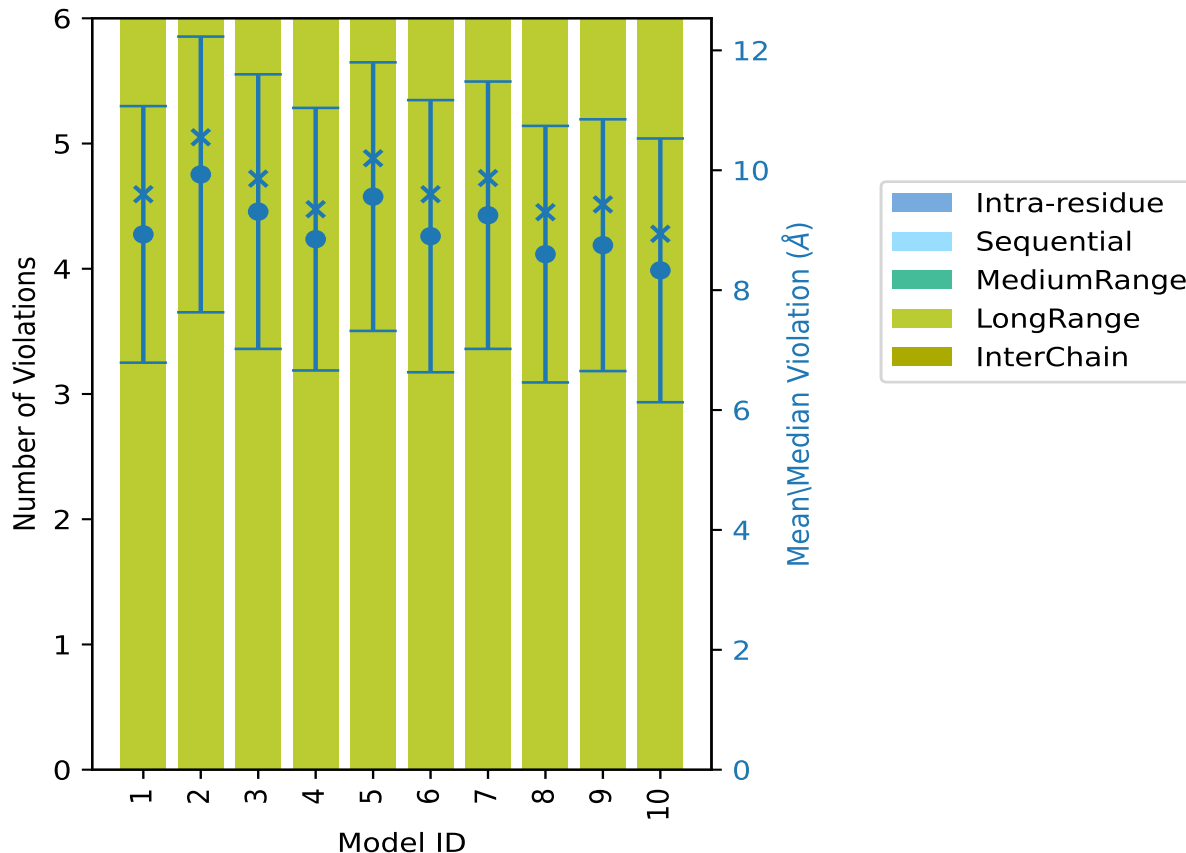
The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	0	0	0	6	0	6	8.93	11.29	2.14	9.6
2	0	0	0	6	0	6	9.93	12.16	2.3	10.55
3	0	0	0	6	0	6	9.31	11.94	2.29	9.86
4	0	0	0	6	0	6	8.85	11.3	2.19	9.35
5	0	0	0	6	0	6	9.56	11.85	2.24	10.2
6	0	0	0	6	0	6	8.9	11.73	2.27	9.6
7	0	0	0	6	0	6	9.25	11.84	2.23	9.87
8	0	0	0	6	0	6	8.6	11.09	2.14	9.3
9	0	0	0	6	0	6	8.75	11.01	2.1	9.43
10	0	0	0	6	0	6	8.33	11.11	2.2	8.94

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,

⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [i](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble [i](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 0(IR:0, SQ:0, MR:0, LR:0, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
0	0	0	0	0	0	1	10.0
0	0	0	0	0	0	2	20.0
0	0	0	0	0	0	3	30.0
0	0	0	0	0	0	4	40.0

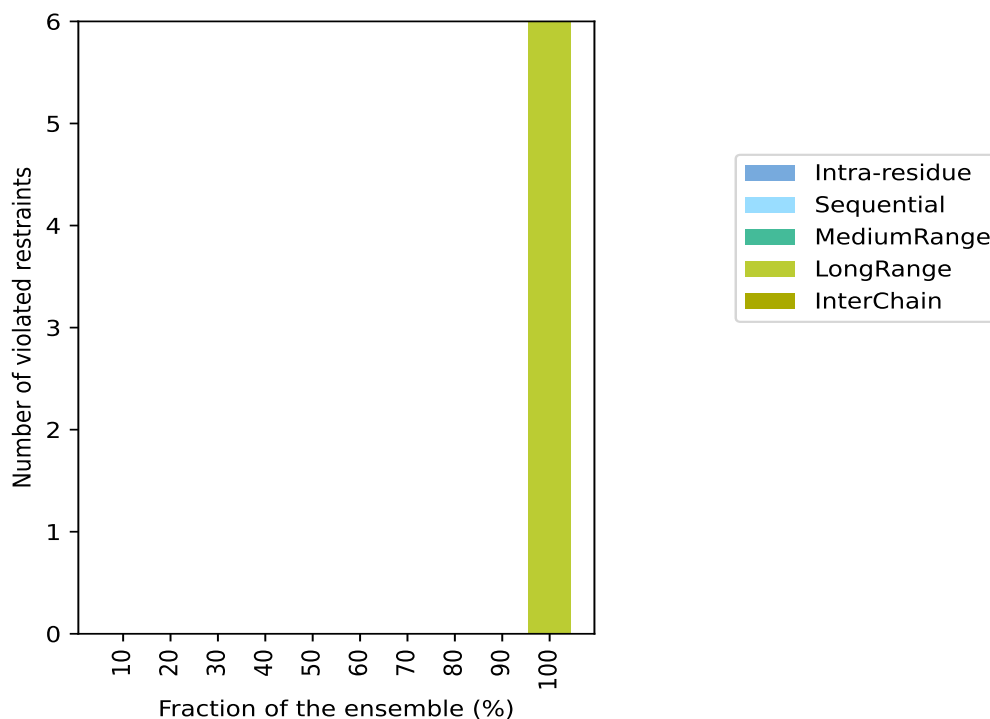
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
0	0	0	0	0	0	5	50.0
0	0	0	0	0	0	6	60.0
0	0	0	0	0	0	7	70.0
0	0	0	0	0	0	8	80.0
0	0	0	0	0	0	9	90.0
0	0	0	6	0	6	10	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

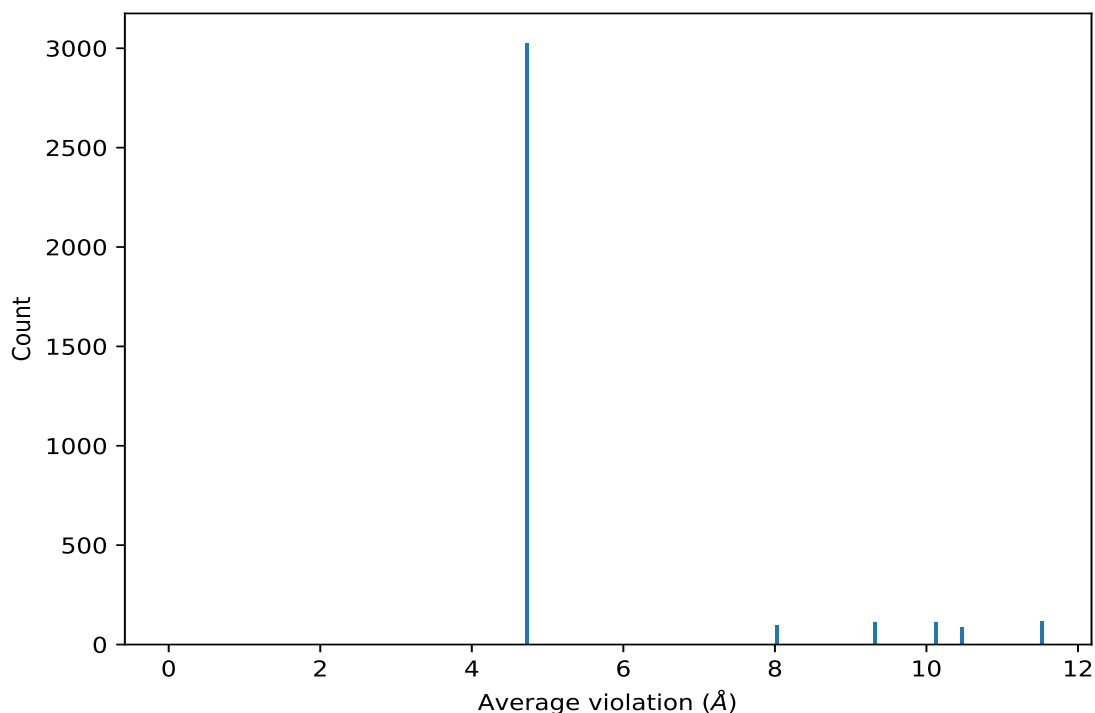
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	10	11.53	0.39	11.52
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	10	11.53	0.39	11.52
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	10	10.47	0.74	10.42
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	10	10.47	0.74	10.42
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	10	10.14	0.34	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	10	10.14	0.34	10.18
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	10	9.32	0.53	9.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	10	9.32	0.53	9.24
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	10	9.32	0.53	9.24
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	10	8.03	0.57	7.92
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	10	8.03	0.57	7.92
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	10	4.74	0.29	4.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

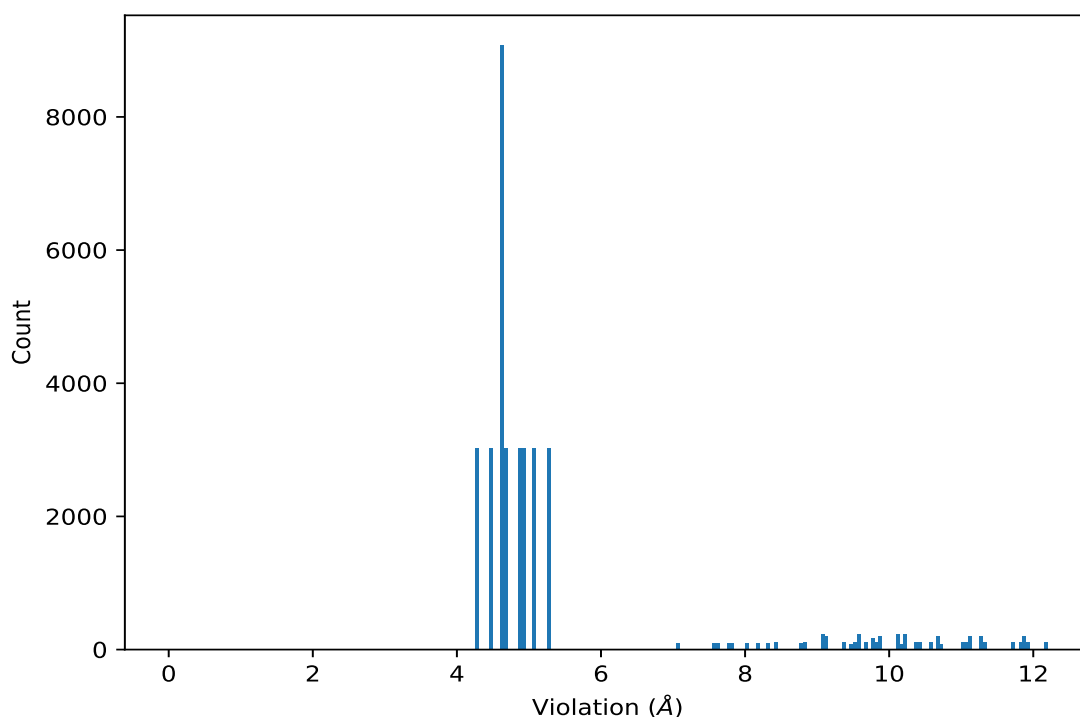
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	10	4.74	0.29	4.66
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	10	4.74	0.29	4.66

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [i](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	2	12.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	2	12.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	2	12.16
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	3	11.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	3	11.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	3	11.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	3	11.94
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	3	11.94
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	2	11.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	2	11.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	2	11.87
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	2	11.87
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	5	11.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	5	11.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	5	11.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	5	11.85
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	7	11.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	7	11.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	7	11.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	7	11.84
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	6	11.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	6	11.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	6	11.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	6	11.73
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	4	11.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	4	11.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	4	11.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	4	11.3
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	1	11.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	1	11.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	1	11.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	1	11.29
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	1	11.29
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	5	11.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	5	11.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	5	11.27
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	3	11.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	3	11.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	3	11.12
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	3	11.12
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	10	11.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	10	11.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	10	11.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	10	11.11
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	8	11.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	8	11.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	8	11.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	8	11.09
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:C	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CA	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CB	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD1	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CD2	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:C	9	11.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE1	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CE2	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CG	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:CZ	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:H	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HA	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB2	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:C	9	11.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HB3	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD1	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HD2	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE1	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HE2	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:HZ	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:C	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:N	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:C	9	11.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:CA	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA2	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:HA3	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:N	9	11.01
(1,1)	1:A:58:PHE:O	1:A:25:GLY:O	9	11.01
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	7	10.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	7	10.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	7	10.7
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	7	10.7
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	2	10.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	2	10.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	2	10.68
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	2	10.68
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	4	10.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	4	10.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	4	10.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	4	10.65
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	4	10.65
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	5	10.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	5	10.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	5	10.57
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	5	10.57
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	2	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	2	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	2	10.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	2	10.42
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	2	10.42
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	1	10.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	1	10.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	1	10.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	1	10.36
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	9	10.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	9	10.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	9	10.24
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	7	10.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	7	10.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	7	10.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	7	10.21
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	7	10.21
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	6	10.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	6	10.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	6	10.18
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	6	10.18
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	6	10.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	6	10.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	6	10.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	6	10.14
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	3	10.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	3	10.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	3	10.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	3	10.13
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	8	9.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	8	9.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	8	9.86
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	8	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	1	9.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	1	9.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	1	9.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	1	9.86
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	1	9.86
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	5	9.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	5	9.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	5	9.83
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	5	9.83
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	8	9.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	8	9.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	8	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	9	9.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	9	9.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	9	9.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	9	9.79
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	9	9.79
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	10	9.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	10	9.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	10	9.69
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	10	9.69
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	3	9.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	3	9.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	3	9.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	3	9.59
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	3	9.59
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:C	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CA	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CB	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:C	4	9.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD1	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CD2	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:CG	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:H	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HA	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB2	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HB3	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:C	4	9.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD11	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD12	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD13	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD21	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD22	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HD23	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:HG	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:C	4	9.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:N	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:C	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:CA	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA2	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:HA3	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:N	4	9.56
(1,5)	1:A:97:LEU:O	1:A:25:GLY:O	4	9.56
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	7	9.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	7	9.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	7	9.53
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	7	9.53
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:C	10	9.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:C	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CA	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CB	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CD	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:CG	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:H	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HA	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:C	10	9.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB2	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HB3	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG2	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:HG3	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:N	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:O	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:C	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE1	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:C	10	9.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:CA	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA2	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:HA3	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:N	10	9.47
(1,2)	1:A:85:GLU:OE2	1:A:25:GLY:O	10	9.47
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	1	9.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	1	9.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	1	9.35
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	1	9.35
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	2	9.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	2	9.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	2	9.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	2	9.14
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	2	9.14
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	4	9.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	4	9.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	4	9.13
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	6	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	6	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	6	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	6	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	9	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	9	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	9	9.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	9	9.07
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	8	8.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	8	8.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	8	8.82
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	8	8.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	5	8.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	5	8.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	5	8.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	5	8.75
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	5	8.75
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:C	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CA	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CB	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CD1	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG1	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:C	10	8.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:CG2	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:H	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HA	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HB	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD11	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD12	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HD13	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:C	10	8.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG12	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG13	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG21	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG22	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:HG23	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:N	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:C	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:CA	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA2	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:HA3	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:N	10	8.4
(1,3)	1:A:90:ILE:O	1:A:25:GLY:O	10	8.4
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	7	8.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	7	8.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	7	8.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	7	8.34
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	3	8.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	3	8.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	3	8.16
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	1	8.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	1	8.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	1	8.01
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	4	7.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	4	7.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	4	7.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	4	7.82
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	9	7.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	9	7.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	9	7.77
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	6	7.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	6	7.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	6	7.64
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	8	7.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	8	7.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	8	7.59
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:C	10	7.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:C	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CA	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CB	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG1	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:CG2	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:H	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HA	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:C	10	7.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HB	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG11	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG12	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG13	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG21	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG22	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:HG23	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:C	10	7.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:N	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:C	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:CA	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA2	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:HA3	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:N	10	7.07
(1,4)	1:A:91:VAL:O	1:A:25:GLY:O	10	7.07
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	2	5.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	2	5.28
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	5	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	5	5.08
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	3	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	3	4.93
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	7	4.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	7	4.87
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	1	4.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	1	4.69
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	9	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	9	4.64
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	6	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	6	4.63
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	4	4.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	4	4.62
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	8	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	8	4.45
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:C	1:A:100:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:CA	1:A:100:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA2	1:A:100:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:HA3	1:A:100:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:N	1:A:100:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:37:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:41:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CA	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:53:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:54:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:HH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:55:TYR:OH	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:56:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:57:GLY:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:HZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:58:PHE:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:59:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:60:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:62:MET:SD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HE3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:HZ3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:NZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:63:LYS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:HG23	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:72:THR:OG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:76:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:HH22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:N	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NE	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:NH2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:78:ARG:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:80:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HE22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:81:GLN:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:82:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:84:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:85:GLU:OE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:C	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:ND1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:NE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:86:HIS:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:87:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:88:ASP:OD2	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:90:ILE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:CG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:HG23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:91:VAL:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:92:GLY:O	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:ND2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:94:ASN:OD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:95:ALA:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:CZ	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HE2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:HZ	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:96:PHE:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD1	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD11	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD12	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD13	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD21	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD22	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HD23	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:97:LEU:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CD	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:CG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HB3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HD3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:HG3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:98:PRO:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:CB	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HB3	10	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:HG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:O	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:99:SER:OG	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:C	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:CA	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:H	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA2	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:HA3	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:N	10	4.26
(1,6)	1:A:25:GLY:O	1:A:100:GLY:O	10	4.26

10 Dihedral-angle violation analysis

No dihedral-angle restraints found