



wwPDB NMR Structure Validation Summary Report ⓘ

Jun 4, 2023 – 09:22 PM EDT

PDB ID : 2LZ6
BMRB ID : 18737
Title : Distinct ubiquitin binding modes exhibited by sh3 domains: molecular determinants and functional implications
Authors : Ortega-Roldan, J.; Azuaga, A.; Blackledge, M.; Van Nuland, N.
Deposited on : 2012-09-24

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4.02b-467
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.33

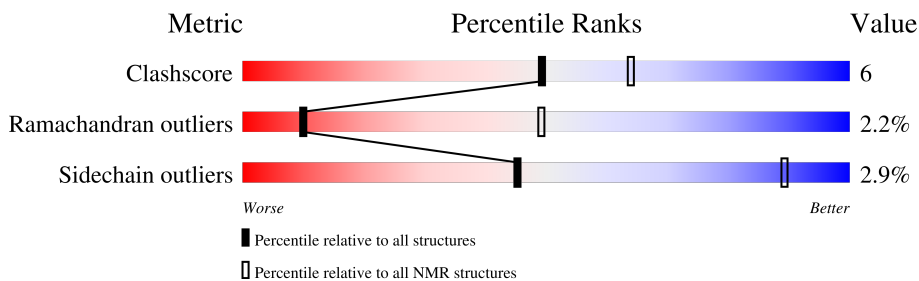
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 14%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	76	
2	B	64	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 10 models. Model 7 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:1-A:70, B:7-B:64 (128)	0.61	7

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters and 1 single-model cluster was found.

Cluster number	Models
1	3, 4, 7, 8, 10
2	1, 9
3	5, 6
Single-model clusters	2

3 Entry composition

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 2169 atoms, of which 1084 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Ubiquitin.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	76	1232	378	630	105	118	1	0

- Molecule 2 is a protein called CD2-associated protein.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
2	B	60	937	308	454	78	96	1	0

There are 4 discrepancies between the modelled and reference sequences:

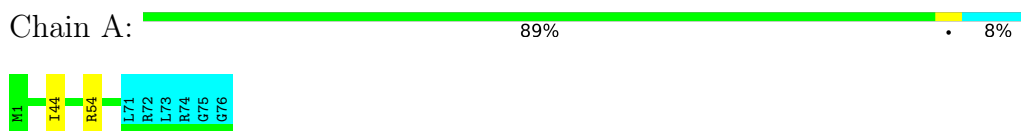
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
B	1	GLY	-	expression tag	UNP Q9JLQ0
B	2	ALA	-	expression tag	UNP Q9JLQ0
B	3	MET	-	expression tag	UNP Q9JLQ0
B	4	GLY	-	expression tag	UNP Q9JLQ0

4 Residue-property plots [i](#)

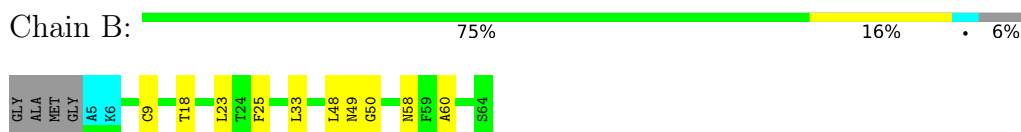
4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Ubiquitin



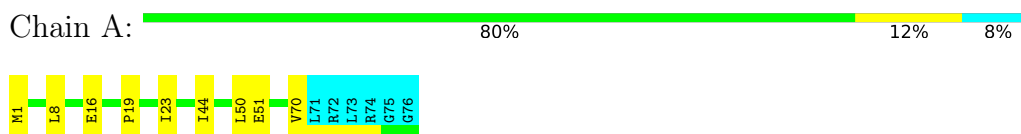
- Molecule 2: CD2-associated protein



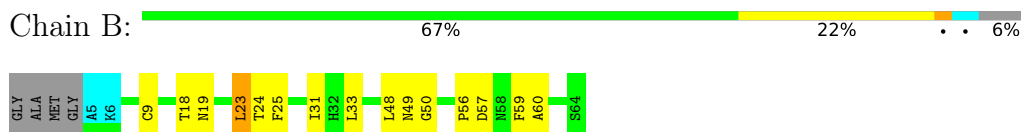
4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 7. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: Ubiquitin



- Molecule 2: CD2-associated protein



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *SIMULATED ANNEALING, MOLECULAR DYNAMICS*.

Of the 200 calculated structures, 10 were deposited, based on the following criterion: *target function*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
HADDOCK	refinement	
CNS/SCULPTOR	refinement	
CNS/SCULPTOR	structure solution	
NMRView	structure solution	
HADDOCK	structure solution	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	266
Number of shifts mapped to atoms	260
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	6
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	14%

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	555	576	575	5±3
2	B	469	436	435	8±2
All	All	10240	10120	10100	124

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 6.

5 of 77 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:47:GLY:C	2:B:18:THR:HG22	0.72	2.04	4	1
2:B:48:LEU:O	2:B:50:GLY:N	0.68	2.26	10	10
2:B:23:LEU:HD13	2:B:24:THR:N	0.67	2.04	7	1
2:B:16:THR:HA	2:B:24:THR:HG23	0.67	1.67	6	1
1:A:8:LEU:HD22	1:A:8:LEU:H	0.66	1.51	7	1

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR

entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	69/76 (91%)	63±4 (92±5%)	5±3 (7±4%)	1±1 (1±2%)	16	63
2	B	57/64 (89%)	51±1 (89±2%)	4±2 (8±3%)	2±1 (3±1%)	6	37
All	All	1260/1400 (90%)	1138 (90%)	94 (7%)	28 (2%)	10	49

5 of 10 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
2	B	49	ASN	10
1	A	54	ARG	5
2	B	37	GLU	4
2	B	58	ASN	3
1	A	43	LEU	1

6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	64/68 (94%)	62±1 (98±2%)	2±1 (2±2%)	53	92
2	B	49/51 (96%)	47±1 (96±3%)	2±1 (4±3%)	37	85
All	All	1130/1190 (95%)	1097 (97%)	33 (3%)	45	89

5 of 20 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
2	B	23	LEU	4
1	A	16	GLU	3
2	B	22	GLU	3
2	B	51	LYS	3
1	A	51	GLU	2

6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation [i](#)

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 14% for the well-defined parts and 14% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_1*

7.1.1 Bookkeeping [i](#)

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	266
Number of shifts mapped to atoms	260
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	6
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	0

The following assigned chemical shifts were not mapped to the molecules present in the coordinate file.

- No matching atom found in the structure. First 5 (of 6) occurrences are reported below.

List ID	Chain	Res	Type	Atom	Shift Data		
					Value	Uncertainty	Ambiguity
1	B	2	ALA	H	8.6328	.	1
1	B	2	ALA	N	124.1283	.	1
1	B	3	MET	H	8.5585	.	1
1	B	3	MET	N	120.1743	.	1
1	B	4	GLY	H	8.5005	.	1
1	B	4	GLY	N	110.9082	.	1

7.1.2 Chemical shift referencing [i](#)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	0	—	None (insufficient data)
$^{13}\text{C}_\beta$	0	—	None (insufficient data)

Continued on next page...

Continued from previous page...

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}'$	0	—	None (insufficient data)
^{15}N	133	0.72 ± 0.34	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments [i](#)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 14%, i.e. 244 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1754. 0 out of 17 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	244/641 (38%)	122/262 (47%)	0/256 (0%)	122/123 (99%)
Sidechain	0/986 (0%)	0/635 (0%)	0/317 (0%)	0/34 (0%)
Aromatic	0/127 (0%)	0/62 (0%)	0/59 (0%)	0/6 (0%)
Overall	244/1754 (14%)	122/959 (13%)	0/632 (0%)	122/163 (75%)

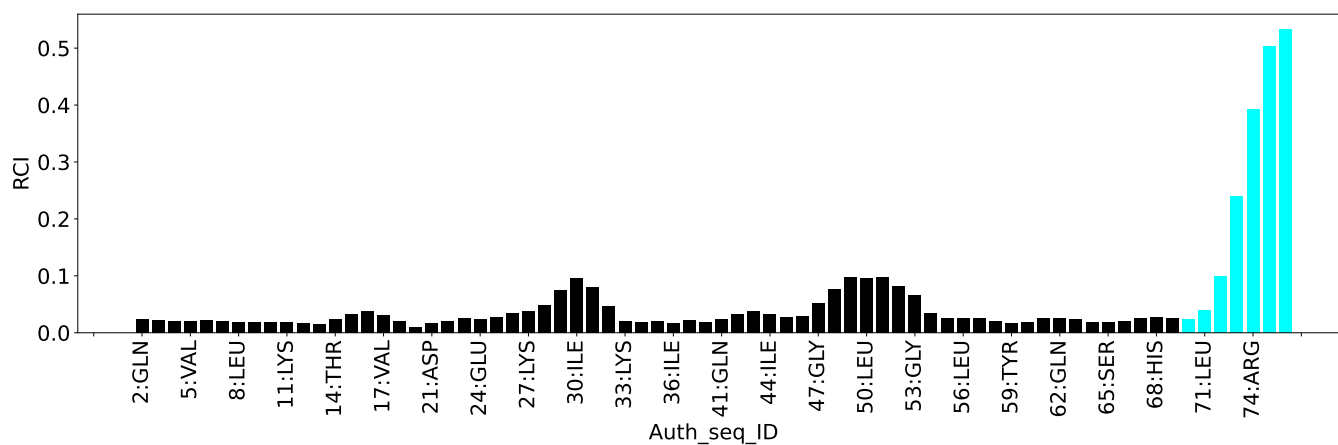
7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

There are no statistically unusual chemical shifts.

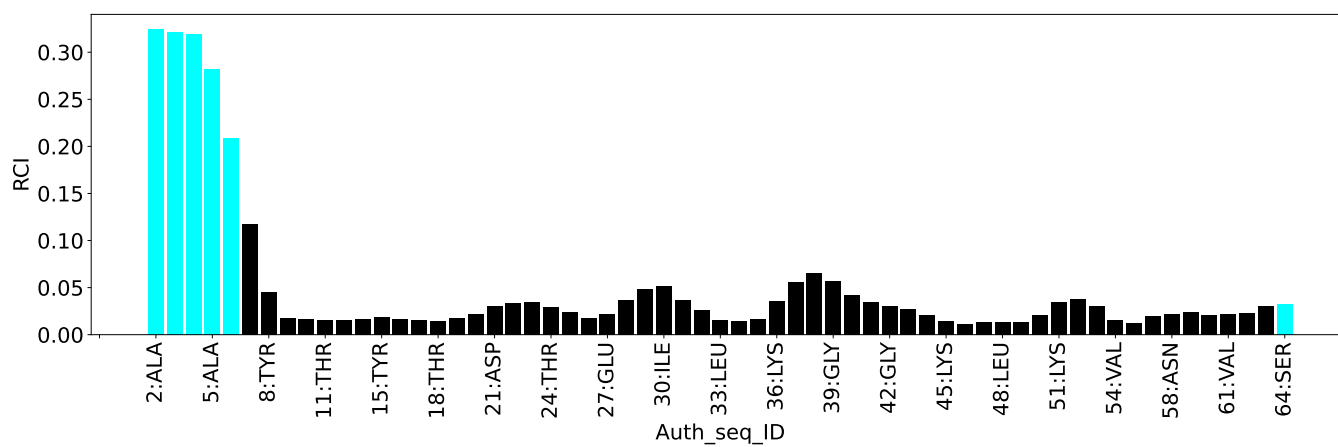
7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



Random coil index (RCI) for chain B:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	48
Intra-residue ($ i-j =0$)	0
Sequential ($ i-j =1$)	0
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	0
Long range ($ i-j \geq 5$)	0
Inter-chain	48
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	0.3
Number of long range restraints per residue ¹	0.0

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	1.2	0.19
0.2-0.5 (Medium)	None	None
>0.5 (Large)	1.0	1.49

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation. There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis

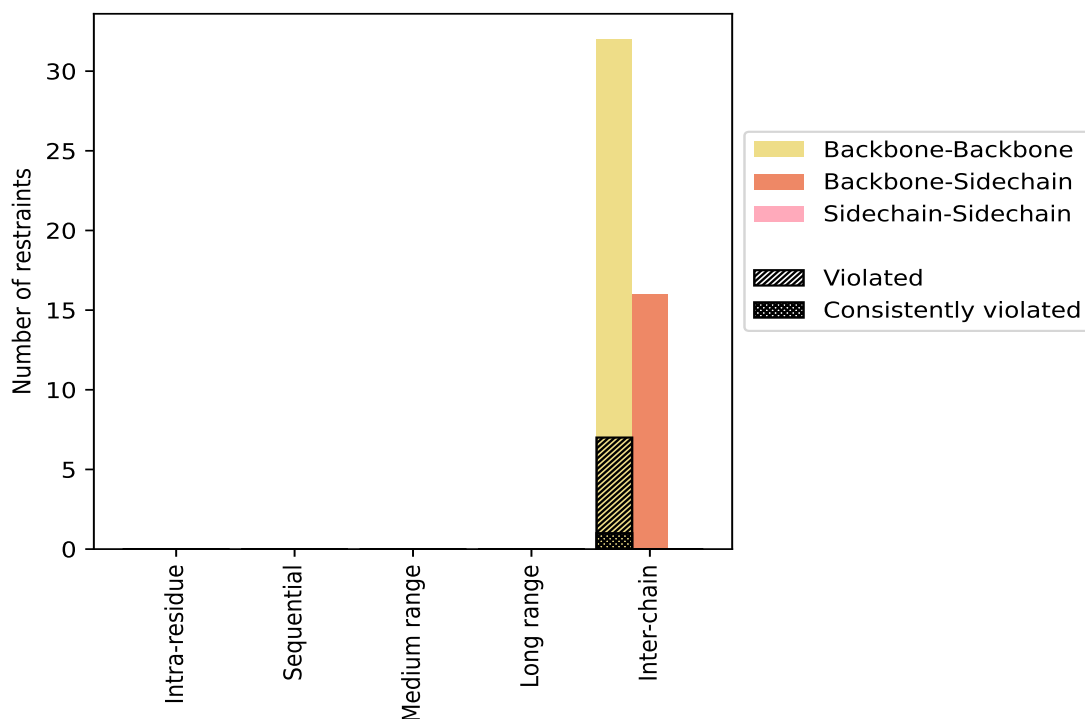
9.1 Summary of distance violations

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue (i-j =0)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sequential (i-j =1)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Medium range (i-j >1 & i-j <5)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Long range (i-j ≥5)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Inter-chain	48	100.0	7	14.6	14.6	1	2.1	2.1
Backbone-Backbone	32	66.7	7	21.9	14.6	1	3.1	2.1
Backbone-Sidechain	16	33.3	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	48	100.0	7	14.6	14.6	1	2.1	2.1
Backbone-Backbone	32	66.7	7	21.9	14.6	1	3.1	2.1
Backbone-Sidechain	16	33.3	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

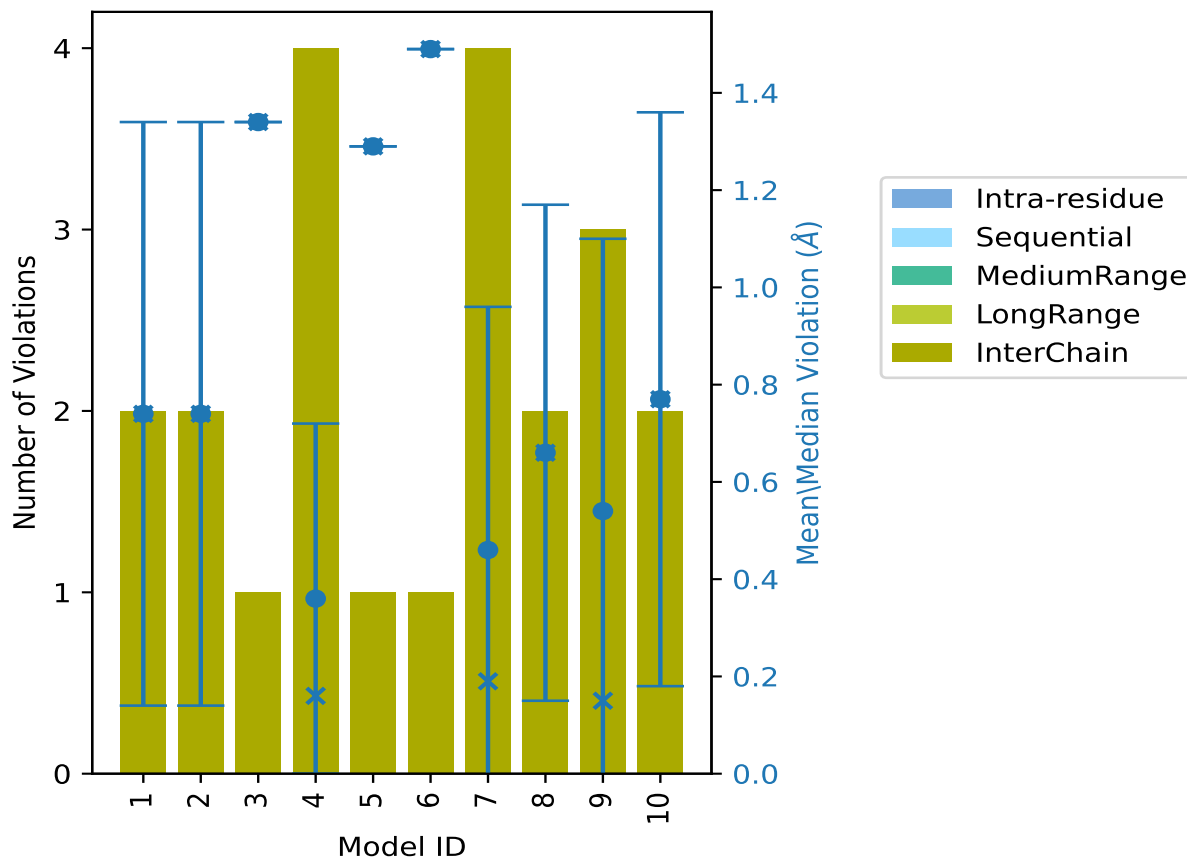
The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	0	0	0	0	2	2	0.74	1.33	0.6	0.74
2	0	0	0	0	2	2	0.74	1.34	0.6	0.74
3	0	0	0	0	1	1	1.34	1.34	0.0	1.34
4	0	0	0	0	4	4	0.36	0.98	0.36	0.16
5	0	0	0	0	1	1	1.29	1.29	0.0	1.29
6	0	0	0	0	1	1	1.49	1.49	0.0	1.49
7	0	0	0	0	4	4	0.46	1.32	0.5	0.19
8	0	0	0	0	2	2	0.66	1.17	0.51	0.66
9	0	0	0	0	3	3	0.54	1.33	0.56	0.15
10	0	0	0	0	2	2	0.77	1.36	0.59	0.77

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints,

⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [i](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

9.3 Distance violation statistics for the ensemble [i](#)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 41(IR:0, SQ:0, MR:0, LR:0, IC:41) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
0	0	0	0	2	2	1	10.0
0	0	0	0	2	2	2	20.0
0	0	0	0	2	2	3	30.0
0	0	0	0	0	0	4	40.0

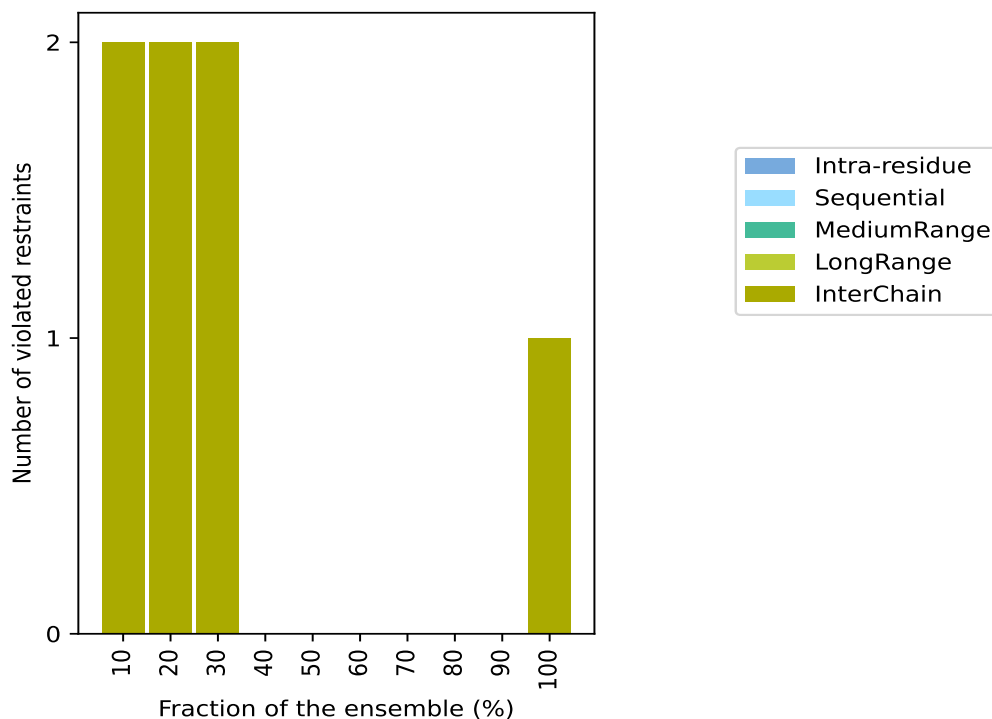
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
0	0	0	0	0	0	5	50.0
0	0	0	0	0	0	6	60.0
0	0	0	0	0	0	7	70.0
0	0	0	0	0	0	8	80.0
0	0	0	0	0	0	9	90.0
0	0	0	0	1	1	10	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

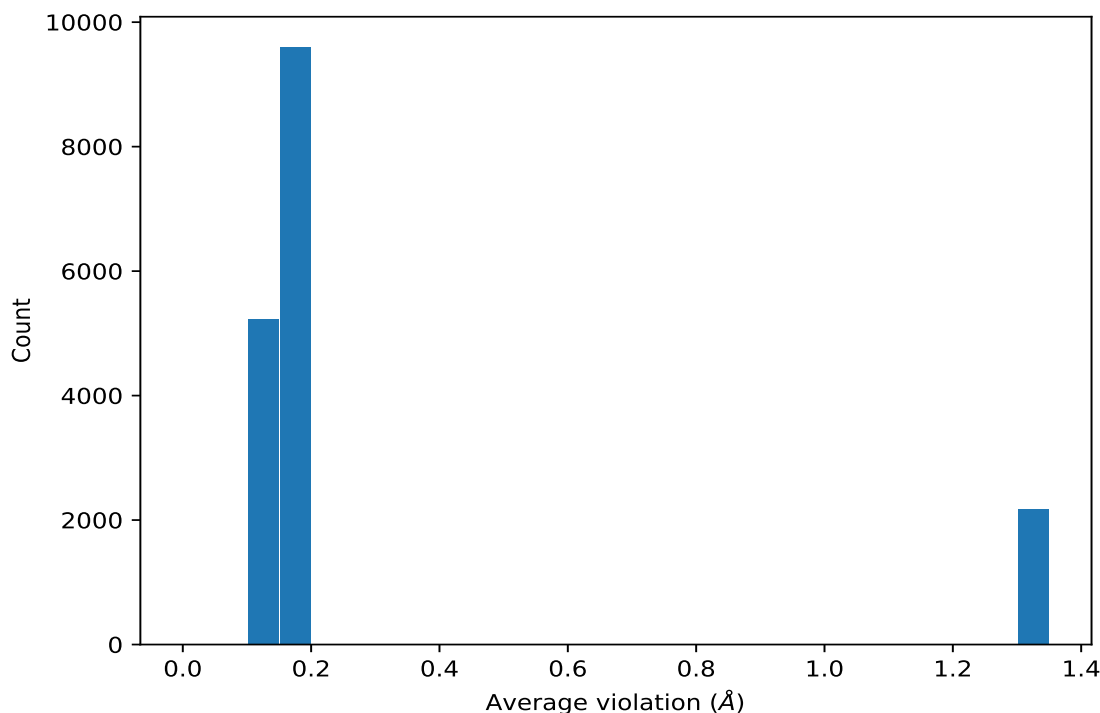
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	10	1.3	0.13	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	10	1.3	0.13	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	10	1.3	0.13	1.33
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:C	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CA	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CB	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD1	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CD2	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:CG	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:H	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HA	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB2	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HB3	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD11	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD12	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD13	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD21	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD22	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HD23	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:HG	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:N	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CA	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:HH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:15:TYR:OH	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:18:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:19:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:21:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:CE	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HZ1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:NZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:36:LYS:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:37:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:CG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HG21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HG22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:HG23	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:38:THR:OG1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:HG3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:OE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:40:GLU:OE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:C	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:HA2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:HA3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:42:GLY:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:CZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HE3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HH2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HZ2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:HZ3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:NE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:43:TRP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:CD	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HD3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HG2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:HG3	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:56:PRO:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:57:ASP:OD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:HD21	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:HD22	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:ND2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:O	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:58:ASN:OD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:C	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CB	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CD1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CG	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:CZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:H	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HA	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HB2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HB3	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HD1	3	0.17	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HD2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HE1	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HE2	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:HZ	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:N	3	0.17	0.02	0.18
(2,9)	1:A:71:LEU:O	2:B:59:PHE:O	3	0.17	0.02	0.18
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:CD	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:CE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HD3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HE2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HE3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HG3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HZ1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HZ2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:HZ3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:NZ	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:6:LYS:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:CD1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:CD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD21	3	0.16	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HD23	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:HG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:8:LEU:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:CD	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:CZ	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HD3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HG3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HH11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HH12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HH21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:HH22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:NE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:NH1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:NH2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:42:ARG:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:CD1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:CG1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:CG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HD11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HD12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HD13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HG12	3	0.16	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HG13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HG21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HG22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:HG23	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:44:ILE:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:HB1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:46:ALA:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:HA2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:HA3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:47:GLY:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:CD	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:CE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HD3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HE2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HE3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HG3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HZ1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HZ2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:HZ3	3	0.16	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:NZ	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:48:LYS:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:CD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:CE1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HD1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HE1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:HE2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:ND1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:NE2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:68:HIS:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:CG1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:CG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:HG23	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:70:VAL:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:CD1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:CD2	3	0.16	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HD23	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:HG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:71:LEU:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:CD	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:CZ	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HD3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HG2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HG3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HH11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HH12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HH21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:HH22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:NE	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:NH1	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:NH2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:72:ARG:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:CB	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:CD1	3	0.16	0.02	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:CD2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:CG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HB2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HB3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD11	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD12	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD13	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD21	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD22	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HD23	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:HG	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:73:LEU:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:HA2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:HA3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:75:GLY:O	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:C	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:CA	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:H	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:HA2	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:HA3	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:N	3	0.16	0.02	0.15
(1,15)	2:B:36:LYS:HA	1:A:76:GLY:O	3	0.16	0.02	0.15
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:C	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CA	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CB	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CD	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CG	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:CZ	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:H	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HA	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB2	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HB3	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD2	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HD3	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HE	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG2	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HG3	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH11	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH12	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH21	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:HH22	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:N	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NE	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH1	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:NH2	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:CZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:HH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:15:TYR:OH	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:18:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:19:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:21:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:CE	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:N	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:NZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:36:LYS:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:37:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:CG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HG21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HG22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:HG23	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:38:THR:OG1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:HG3	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:OE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:40:GLU:OE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:HA2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:HA3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:42:GLY:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HE3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HH2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:NE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:43:TRP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:CD	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HB2	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HD3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HG2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:HG3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:56:PRO:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:57:ASP:OD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:HD21	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:HD22	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:ND2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:58:ASN:OD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:C	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CB	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CG	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:CZ	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:H	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HA	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HB2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HB3	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HD1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HD2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HE1	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HE2	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:HZ	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:N	2	0.16	0.04	0.16
(2,3)	1:A:42:ARG:O	2:B:59:PHE:O	2	0.16	0.04	0.16
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:C	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CA	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CB	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CD	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CG	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:CZ	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:H	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HA	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB2	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HB3	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD2	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HD3	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HE	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG2	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HG3	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH11	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH12	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH21	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:HH22	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:N	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NE	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH1	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:NH2	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HD2	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:HH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:15:TYR:OH	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:18:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:19:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:21:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:CE	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:NZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:36:LYS:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:37:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:C	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:CG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HG21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HG22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:HG23	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:38:THR:OG1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:OE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:40:GLU:OE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:HA2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:HA3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:42:GLY:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CE3	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:CZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HE3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HH2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HZ2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:HZ3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:NE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:43:TRP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:CD	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HD3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HG2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:56:PRO:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:OD1	2	0.15	0.0	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

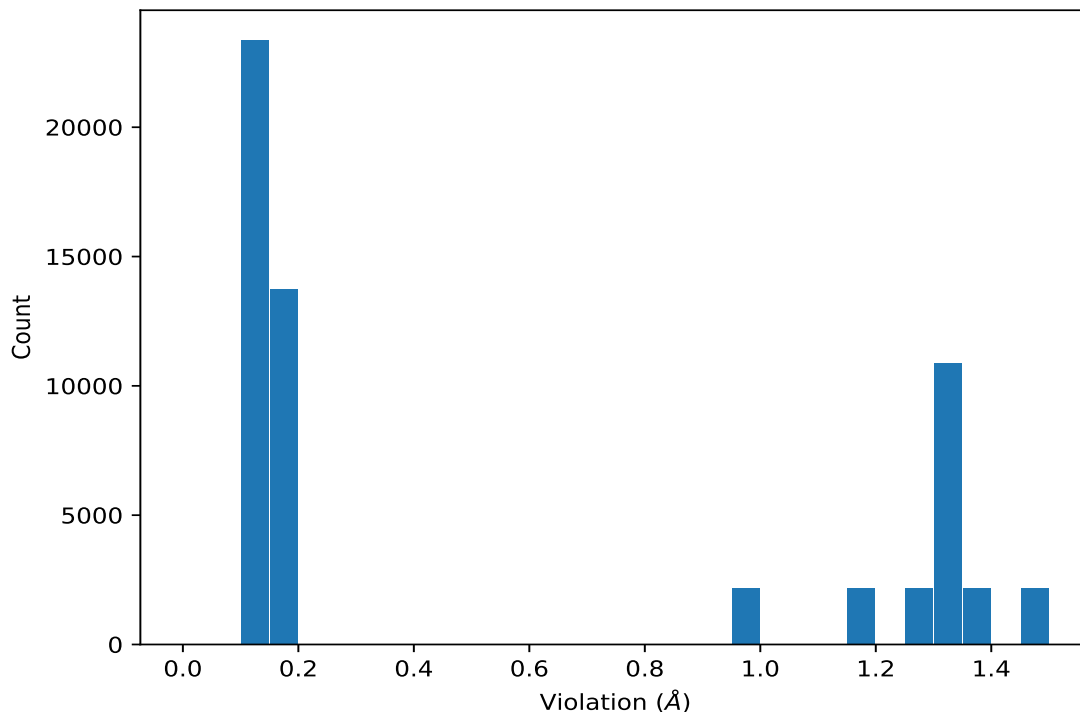
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:57:ASP:OD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:HD21	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:HD22	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:ND2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:O	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:58:ASN:OD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:C	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CB	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CG	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:CZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:H	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HA	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HB2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HB3	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HD1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HD2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HE1	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HE2	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:HZ	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:N	2	0.15	0.0	0.15
(2,10)	1:A:72:ARG:O	2:B:59:PHE:O	2	0.15	0.0	0.15

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [i](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table provides the 10 worst performing restraints, sorted by the violation value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	6	1.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	6	1.49
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	10	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	10	1.36
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	2	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	2	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	3	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	3	1.34
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	1	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	1	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	9	1.33
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	7	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	7	1.32
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	5	1.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	5	1.29
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:18:THR:OG1	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CB	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CA	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:O	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:N	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:CB	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:N	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:H	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CB	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:H	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:CG	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:N	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CB	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HA	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CB	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CD	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:CA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:N	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB1	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:CG	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB2	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG1	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:C	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:O	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:HB3	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:15:TYR:OH	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HB	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:H	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:N	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HB3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:HH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:15:TYR:OH	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:18:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:19:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HA	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:21:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CE	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:NZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:36:LYS:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE1	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:37:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:CG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:HG23	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:38:THR:OG1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:40:GLU:OE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:HA3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:42:GLY:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CD2	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:CZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HE3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HH2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:HZ3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:NE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:43:TRP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CD	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HD3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:HG3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:56:PRO:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:N	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:57:ASP:OD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD21	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:HD22	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:ND2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:58:ASN:OD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:C	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CB	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CG	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:CZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:H	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HA	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HB3	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HD2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE1	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HE2	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:HZ	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:N	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:O	2:B:59:PHE:O	8	1.17
(2,5)	1:A:46:ALA:C	2:B:15:TYR:C	4	0.98

10 Dihedral-angle violation analysis

No dihedral-angle restraints found