



Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Jun 3, 2023 – 11:09 AM EDT

PDB ID : 6CUS
BMRB ID : 30404
Title : HADDOCK structure of the Rous sarcoma virus matrix protein (M-domain)
in complex with myo-inositol hexakisphosphate
Authors : Vlach, J.; Saad, J.S.
Deposited on : 2018-03-26

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org
A user guide is available at
<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>
with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at
<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4.02b-467
Mogul : 1.8.5 (274361), CSD as541be (2020)
buster-report : 1.1.7 (2018)
Percentile statistics : 20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
BMRB Restraints Analysis : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.33

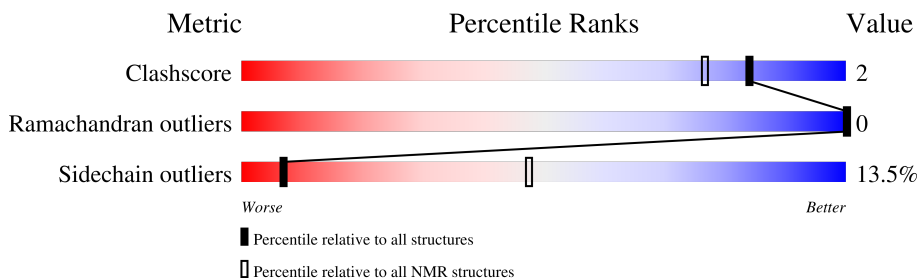
1 Overall quality at a glance i

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 96%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	87	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 13 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *medoid*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:4-A:87 (84)	0.43	13

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 6 clusters and 1 single-model cluster was found.

Cluster number	Models
1	1, 12, 13, 14, 19
2	4, 9, 10, 16
3	6, 7, 20
4	2, 17, 18
5	3, 15
6	8, 11
Single-model clusters	5

3 Entry composition [i](#)

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 1363 atoms, of which 685 are hydrogens and 0 are deuteriums.

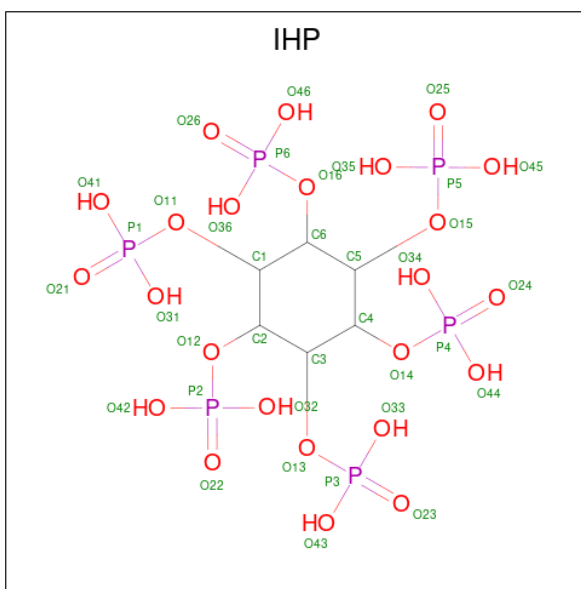
- Molecule 1 is a protein called Matrix protein p19.

Mol	Chain	Residues	Atoms					Trace	
			Total	C	H	N	O		S
1	A	87	1321	407	679	106	124	5	0

There is a discrepancy between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	1	SER	MET	engineered mutation	UNP P03354

- Molecule 2 is INOSITOL HEXAKISPHOSPHATE (three-letter code: IHP) (formula: $C_6H_{18}O_{24}P_6$).



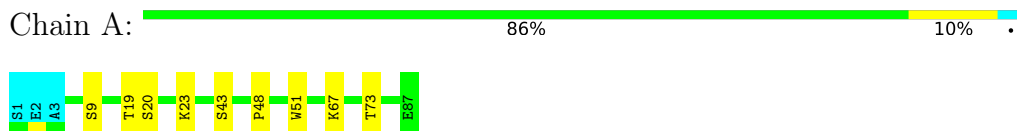
Mol	Chain	Residues	Atoms				
			Total	C	H	O	P
2	A	1	42	6	6	24	6

4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Matrix protein p19

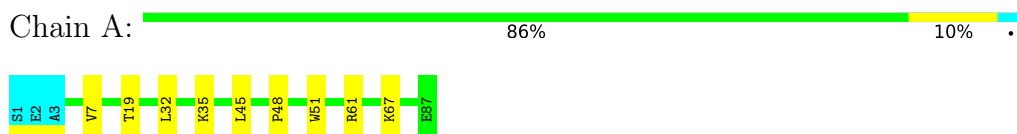


4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

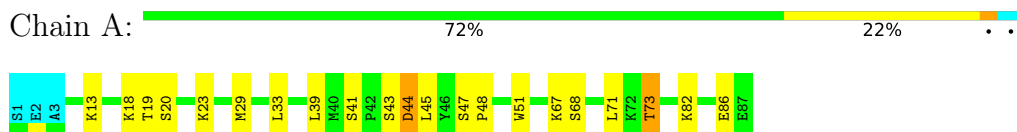
4.2.1 Score per residue for model 1

- Molecule 1: Matrix protein p19



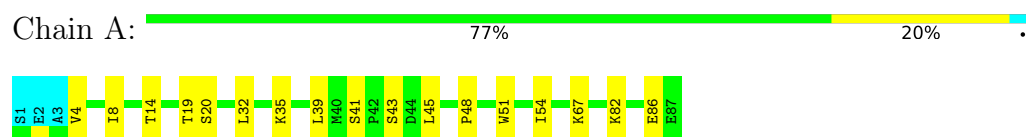
4.2.2 Score per residue for model 2

- Molecule 1: Matrix protein p19



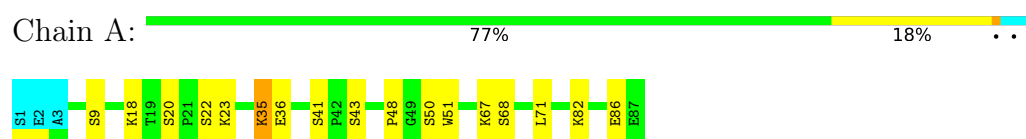
4.2.3 Score per residue for model 3

- Molecule 1: Matrix protein p19



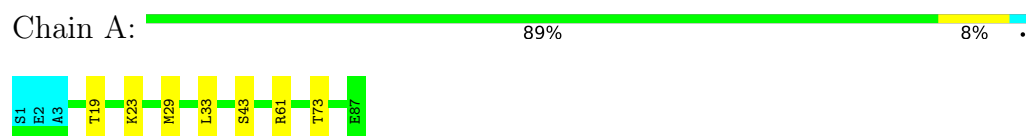
4.2.4 Score per residue for model 4

- Molecule 1: Matrix protein p19



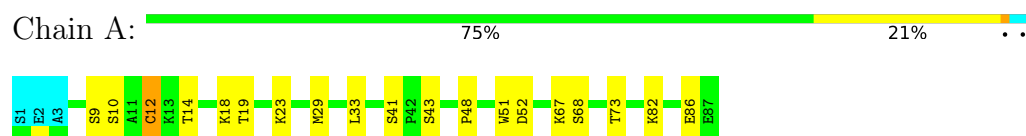
4.2.5 Score per residue for model 5

- Molecule 1: Matrix protein p19



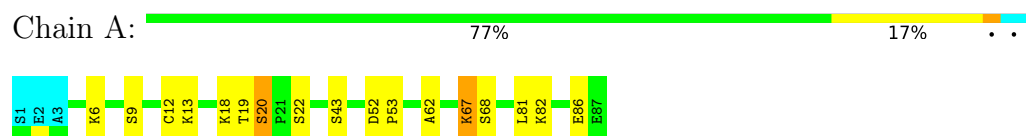
4.2.6 Score per residue for model 6

- Molecule 1: Matrix protein p19



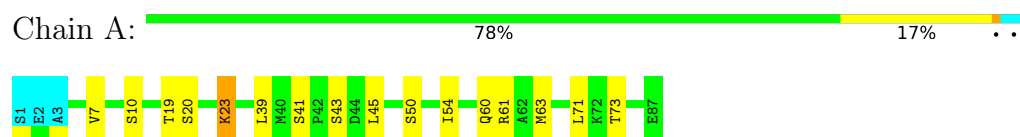
4.2.7 Score per residue for model 7

- Molecule 1: Matrix protein p19



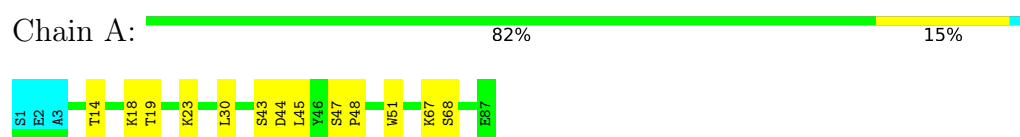
4.2.8 Score per residue for model 8

- Molecule 1: Matrix protein p19



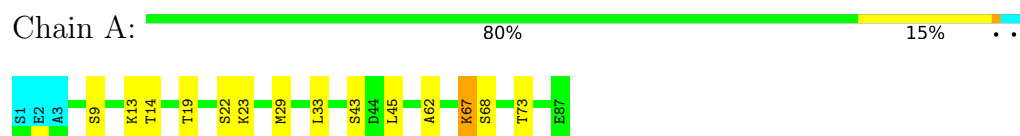
4.2.9 Score per residue for model 9

- Molecule 1: Matrix protein p19



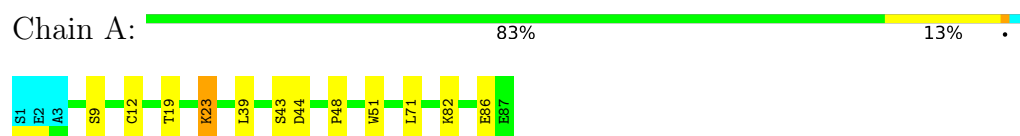
4.2.10 Score per residue for model 10

- Molecule 1: Matrix protein p19



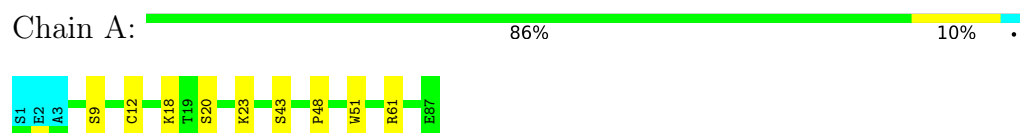
4.2.11 Score per residue for model 11

- Molecule 1: Matrix protein p19



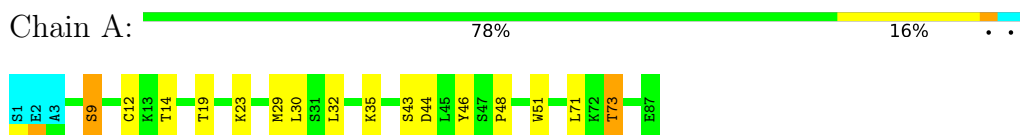
4.2.12 Score per residue for model 12

- Molecule 1: Matrix protein p19



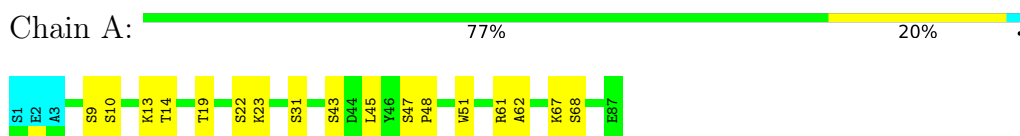
4.2.13 Score per residue for model 13 (medoid)

- Molecule 1: Matrix protein p19



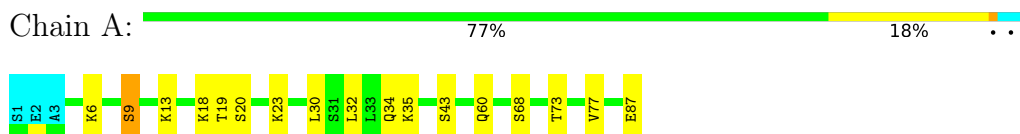
4.2.14 Score per residue for model 14

- Molecule 1: Matrix protein p19



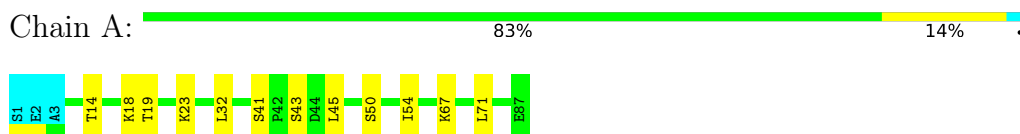
4.2.15 Score per residue for model 15

- Molecule 1: Matrix protein p19



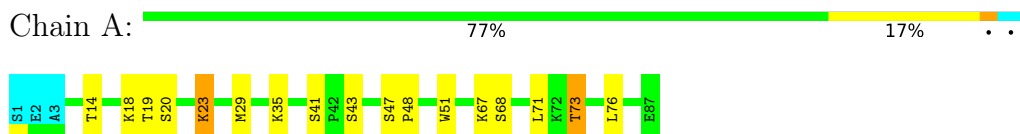
4.2.16 Score per residue for model 16

- Molecule 1: Matrix protein p19



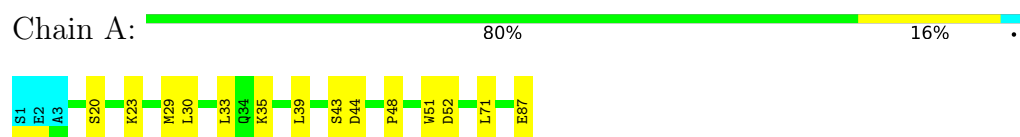
4.2.17 Score per residue for model 17

- Molecule 1: Matrix protein p19



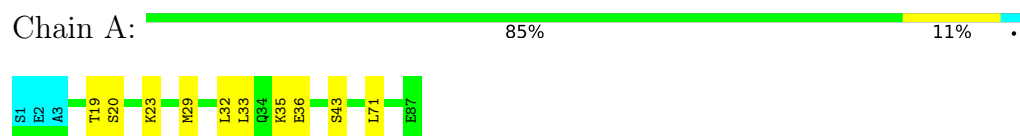
4.2.18 Score per residue for model 18

- Molecule 1: Matrix protein p19



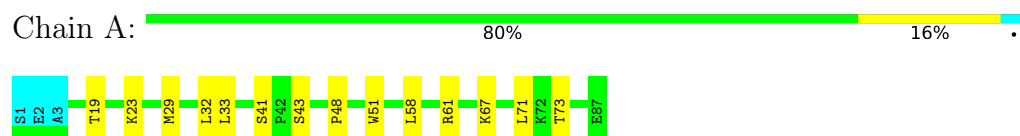
4.2.19 Score per residue for model 19

- Molecule 1: Matrix protein p19



4.2.20 Score per residue for model 20

- Molecule 1: Matrix protein p19



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *torsion angle dynamics*.

Of the 200 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
HADDOCK	structure calculation	
CNS	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1081
Number of shifts mapped to atoms	1081
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	96%

6 Model quality i

6.1 Standard geometry i

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: IHP

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts i

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	622	661	661	3±1
2	A	36	6	6	0±0
All	All	13160	13340	13340	61

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 2.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:9:SER:O	1:A:13:LYS:HG2	0.60	1.95	10	4
1:A:9:SER:HA	1:A:12:CYS:SG	0.59	2.37	6	4
1:A:29:MET:O	1:A:33:LEU:HG	0.57	1.99	10	7
1:A:29:MET:SD	1:A:73:THR:HB	0.57	2.40	13	3
1:A:39:LEU:HD22	1:A:44:ASP:HB3	0.57	1.73	18	3
1:A:48:PRO:HA	1:A:51:TRP:CD2	0.53	2.39	12	13
1:A:62:ALA:HA	1:A:67:LYS:O	0.50	2.07	10	3
1:A:82:LYS:O	1:A:86:GLU:HG3	0.48	2.09	11	4
1:A:13:LYS:HA	1:A:20:SER:OG	0.48	2.09	2	1
1:A:50:SER:O	1:A:54:ILE:HG13	0.47	2.09	16	1
1:A:39:LEU:HD21	1:A:54:ILE:HD11	0.46	1.87	3	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:12:CYS:SG	1:A:20:SER:HB3	0.46	2.50	7	1
1:A:23:LYS:HB3	1:A:23:LYS:HZ3	0.46	1.71	8	1
1:A:23:LYS:HB3	1:A:23:LYS:HZ2	0.45	1.71	11	1
1:A:60:GLN:O	1:A:63:MET:HG2	0.45	2.11	8	1
1:A:73:THR:O	1:A:77:VAL:HG23	0.44	2.12	15	1
1:A:46:TYR:O	1:A:48:PRO:HD3	0.43	2.13	13	1
1:A:82:LYS:O	1:A:86:GLU:HG2	0.42	2.13	4	1
1:A:82:LYS:O	1:A:86:GLU:HB2	0.42	2.14	7	1
1:A:52:ASP:N	1:A:53:PRO:HD2	0.42	2.29	7	1
1:A:4:VAL:O	1:A:8:ILE:HG12	0.41	2.15	3	1
1:A:35:LYS:HG3	1:A:36:GLU:N	0.41	2.30	4	1
1:A:32:LEU:O	1:A:36:GLU:HG2	0.41	2.16	19	1
1:A:30:LEU:O	1:A:34:GLN:HG3	0.41	2.15	15	1
1:A:23:LYS:NZ	2:A:101:IHP:O13	0.41	2.54	17	1
1:A:58:LEU:O	1:A:61:ARG:HG2	0.40	2.15	20	1
1:A:23:LYS:HZ2	1:A:23:LYS:CB	0.40	2.29	11	1

6.3 Torsion angles [i](#)

6.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	83/87 (95%)	82±1 (99±1%)	1±1 (1±1%)	0±0 (0±0%)	100	100
All	All	1660/1740 (95%)	1645 (99%)	15 (1%)	0 (0%)	100	100

There are no Ramachandran outliers.

6.3.2 Protein sidechains [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	68/70 (97%)	59±3 (86±4%)	9±3 (14±4%)	7	47
All	All	1360/1400 (97%)	1176 (86%)	184 (14%)	7	47

All 30 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	43	SER	19
1	A	19	THR	17
1	A	23	LYS	17
1	A	67	LYS	11
1	A	71	LEU	10
1	A	18	LYS	9
1	A	68	SER	9
1	A	20	SER	9
1	A	35	LYS	8
1	A	45	LEU	8
1	A	41	SER	8
1	A	73	THR	8
1	A	14	THR	8
1	A	32	LEU	6
1	A	61	ARG	5
1	A	47	SER	4
1	A	22	SER	4
1	A	44	ASP	3
1	A	9	SER	3
1	A	10	SER	3
1	A	30	LEU	3
1	A	50	SER	2
1	A	52	ASP	2
1	A	87	GLU	2
1	A	12	CYS	1
1	A	81	LEU	1
1	A	31	SER	1
1	A	6	LYS	1
1	A	60	GLN	1
1	A	76	LEU	1

6.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no monosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

1 ligand is modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds that are observed in the model and the number of bonds that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond lengths.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	IHP	A	101	-	36,36,36	1.28±0.00	1±0 (2±0%)

In the following table, the Counts columns list the number of angles for which Mogul statistics could be retrieved, the number of angles that are observed in the model and the number of angles that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond angle is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond angle with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond angles.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond angles		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	IHP	A	101	-	54,60,60	0.47±0.00	0±0 (0±0%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the chemical component dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	IHP	A	101	-	-	0±0,30,54,54	0±0,1,1,1

All unique bond outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)	Models	
								Worst	Total
2	A	101	IHP	P4-O24	3.42	1.61	1.50	11	20

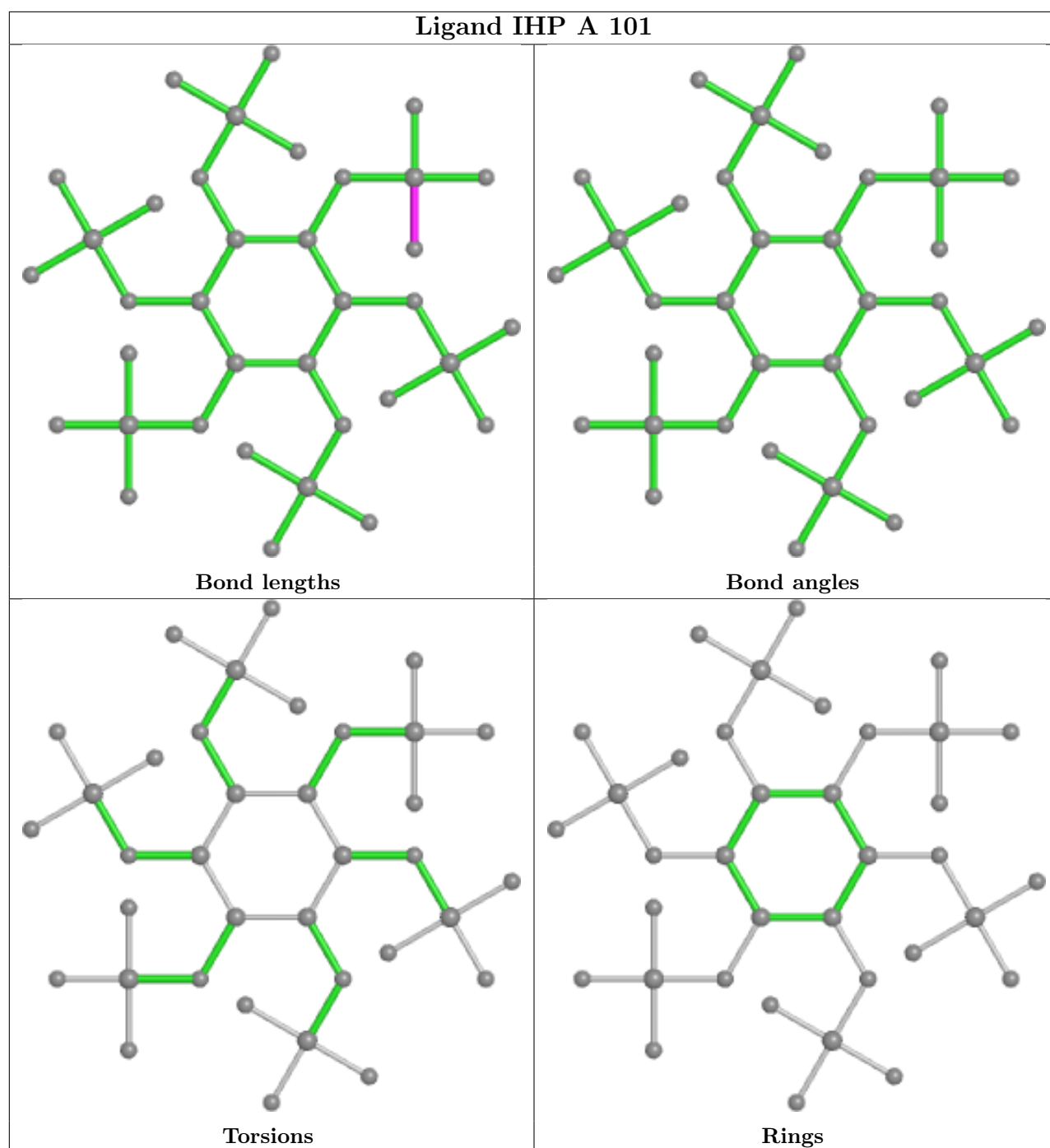
There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no torsion outliers.

There are no ring outliers.

The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less than 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.



6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation i

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 96% for the well-defined parts and 96% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list*

7.1.1 Bookkeeping i

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1081
Number of shifts mapped to atoms	1081
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	5

7.1.2 Chemical shift referencing i

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction \pm precision, ppm	Suggested action
$^{13}\text{C}_\alpha$	87	-0.70 ± 0.27	Should be checked
$^{13}\text{C}_\beta$	79	0.21 ± 0.07	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}\text{C}'$	81	-0.75 ± 0.15	Should be applied
^{15}N	81	0.65 ± 0.34	None needed (imprecise)

7.1.3 Completeness of resonance assignments i

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 96%, i.e. 1058 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1102. 0 out of 15 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^1H	^{13}C	^{15}N
Backbone	415/420 (99%)	172/172 (100%)	163/168 (97%)	80/80 (100%)
Sidechain	603/640 (94%)	410/423 (97%)	189/200 (94%)	4/17 (24%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Aromatic	40/42 (95%)	20/20 (100%)	18/20 (90%)	2/2 (100%)
Overall	1058/1102 (96%)	602/615 (98%)	370/388 (95%)	86/99 (87%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 96%, i.e. 1081 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1131. 0 out of 15 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	¹ H	¹³ C	¹⁵ N
Backbone	425/435 (98%)	176/178 (99%)	168/174 (97%)	81/83 (98%)
Sidechain	616/654 (94%)	419/432 (97%)	193/205 (94%)	4/17 (24%)
Aromatic	40/42 (95%)	20/20 (100%)	18/20 (90%)	2/2 (100%)
Overall	1081/1131 (96%)	615/630 (98%)	379/399 (95%)	87/102 (85%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts [i](#)

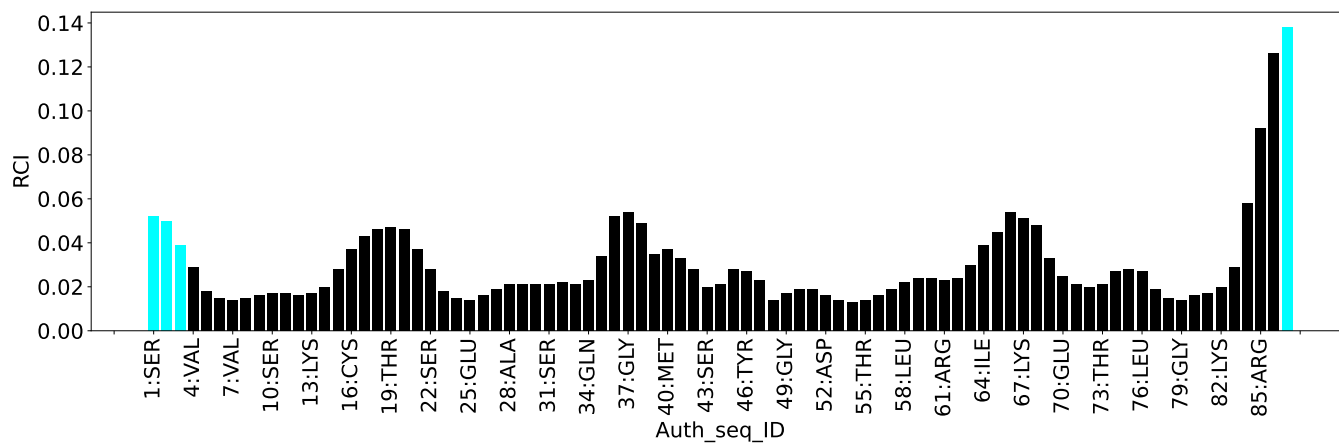
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, ppm	Expected range, ppm	Z-score
1	A	48	PRO	HA	1.68	2.78 – 6.00	-8.4
1	A	78	LEU	HB2	-0.58	-0.07 – 3.30	-6.5
1	A	54	ILE	HG22	-0.70	-0.56 – 2.11	-5.5
1	A	54	ILE	HG23	-0.70	-0.56 – 2.11	-5.5
1	A	54	ILE	HG21	-0.70	-0.56 – 2.11	-5.5

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots [i](#)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition. If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	9
Intra-residue ($ i-j =0$)	0
Sequential ($ i-j =1$)	1
Medium range ($ i-j >1$ and $ i-j <5$)	0
Long range ($ i-j \geq 5$)	8
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	0.1
Number of long range restraints per residue ¹	0.1

¹Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	None	None
0.2-0.5 (Medium)	None	None
>0.5 (Large)	3.0	5.64

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation. There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis i

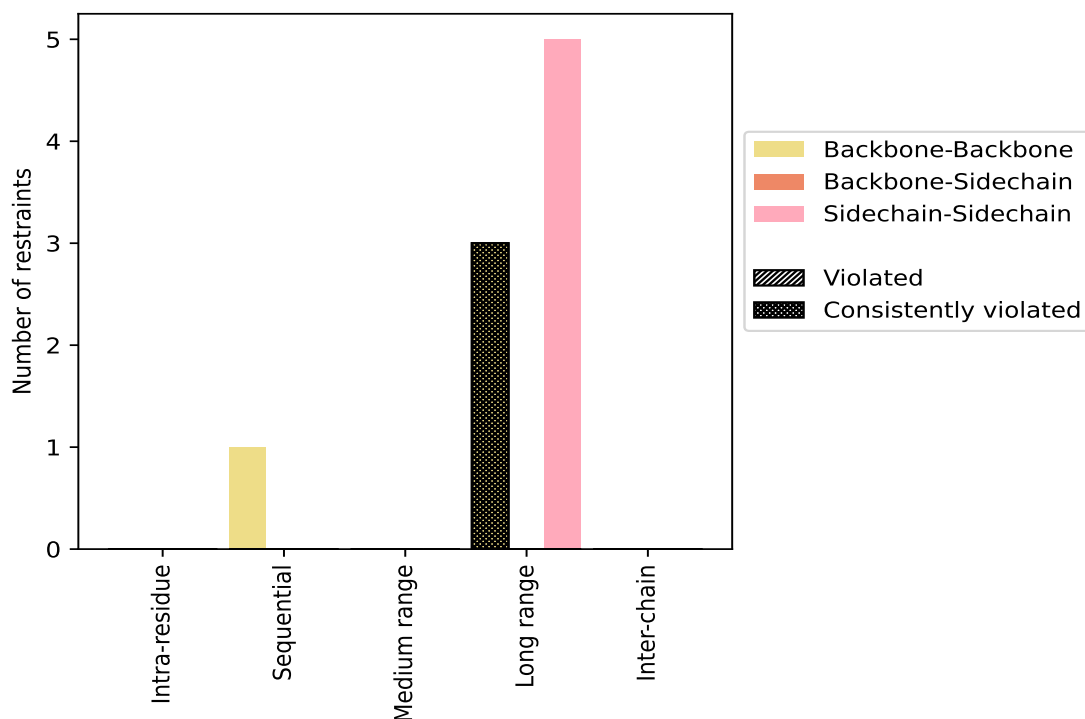
9.1 Summary of distance violations i

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restrains type	Count	% ¹	Violated ³			Consistently Violated ⁴		
			Count	% ²	% ¹	Count	% ²	% ¹
Intra-residue ($i-j =0$)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sequential ($i-j =1$)	1	11.1	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	1	11.1	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Medium range ($i-j >1$ & $i-j <5$)	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Long range ($i-j \geq 5$)	8	88.9	3	37.5	33.3	3	37.5	33.3
Backbone-Backbone	3	33.3	3	100.0	33.3	3	100.0	33.3
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	5	55.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	9	100.0	3	33.3	33.3	3	33.3	33.3
Backbone-Backbone	4	44.4	3	75.0	33.3	3	75.0	33.3
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	5	55.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0

¹ percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, ² percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, ³ violated in at least one model, ⁴ violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations [i](#)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfid bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model [i](#)

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
1	0	0	0	3	0	3	2.82	4.94	1.5	1.81
2	0	0	0	3	0	3	3.01	4.88	1.34	2.31
3	0	0	0	3	0	3	3.15	5.38	1.59	2.25
4	0	0	0	3	0	3	3.19	5.64	1.73	2.06
5	0	0	0	3	0	3	3.0	4.96	1.4	2.24
6	0	0	0	3	0	3	2.91	5.19	1.62	1.83
7	0	0	0	3	0	3	2.76	4.88	1.51	1.91
8	0	0	0	3	0	3	2.78	4.74	1.39	1.9
9	0	0	0	3	0	3	3.26	5.44	1.55	2.39
10	0	0	0	3	0	3	2.88	4.74	1.32	2.13
11	0	0	0	3	0	3	2.93	4.92	1.42	2.09

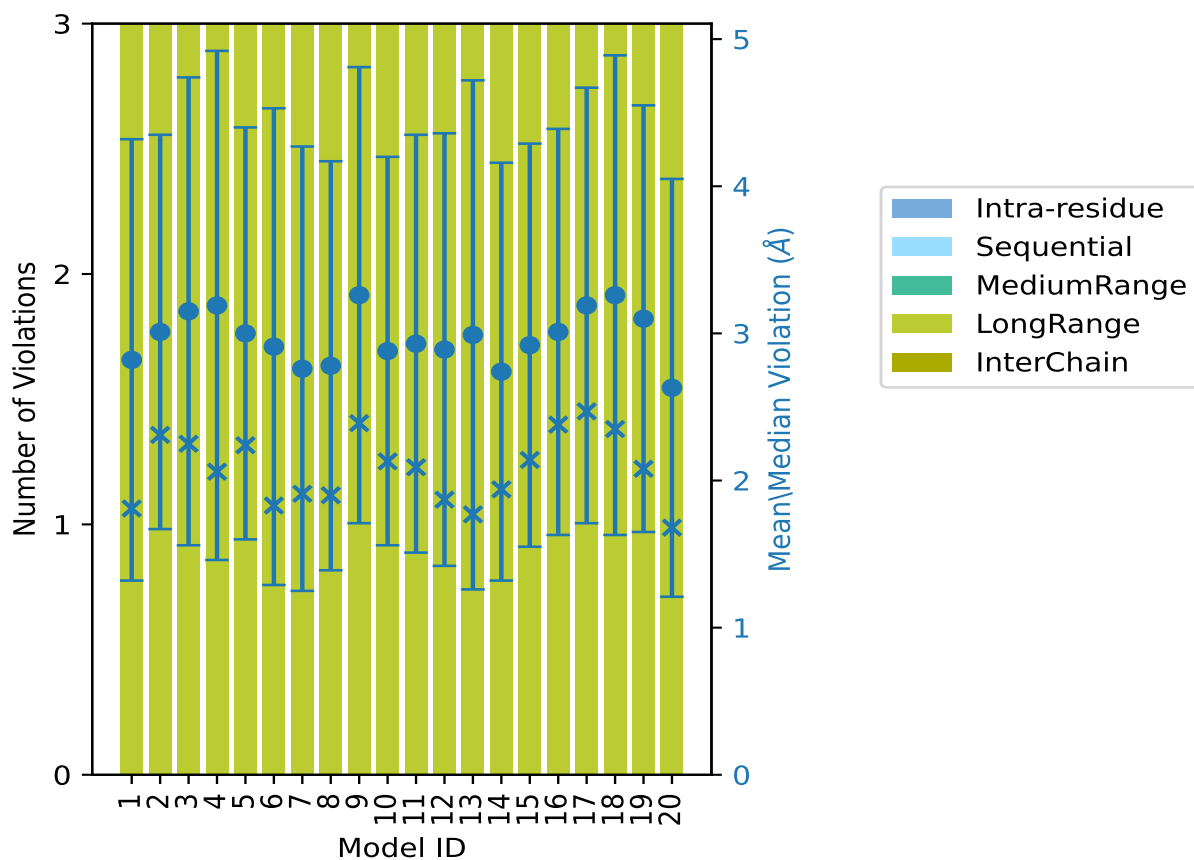
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD ⁶ (Å)	Median (Å)
	IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total				
12	0	0	0	3	0	3	2.89	4.96	1.47	1.87
13	0	0	0	3	0	3	2.99	5.43	1.73	1.77
14	0	0	0	3	0	3	2.74	4.74	1.42	1.94
15	0	0	0	3	0	3	2.92	4.85	1.37	2.14
16	0	0	0	3	0	3	3.01	4.93	1.38	2.38
17	0	0	0	3	0	3	3.19	5.25	1.48	2.47
18	0	0	0	3	0	3	3.26	5.55	1.63	2.35
19	0	0	0	3	0	3	3.1	5.15	1.45	2.08
20	0	0	0	3	0	3	2.63	4.64	1.42	1.68

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model [\(i\)](#)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

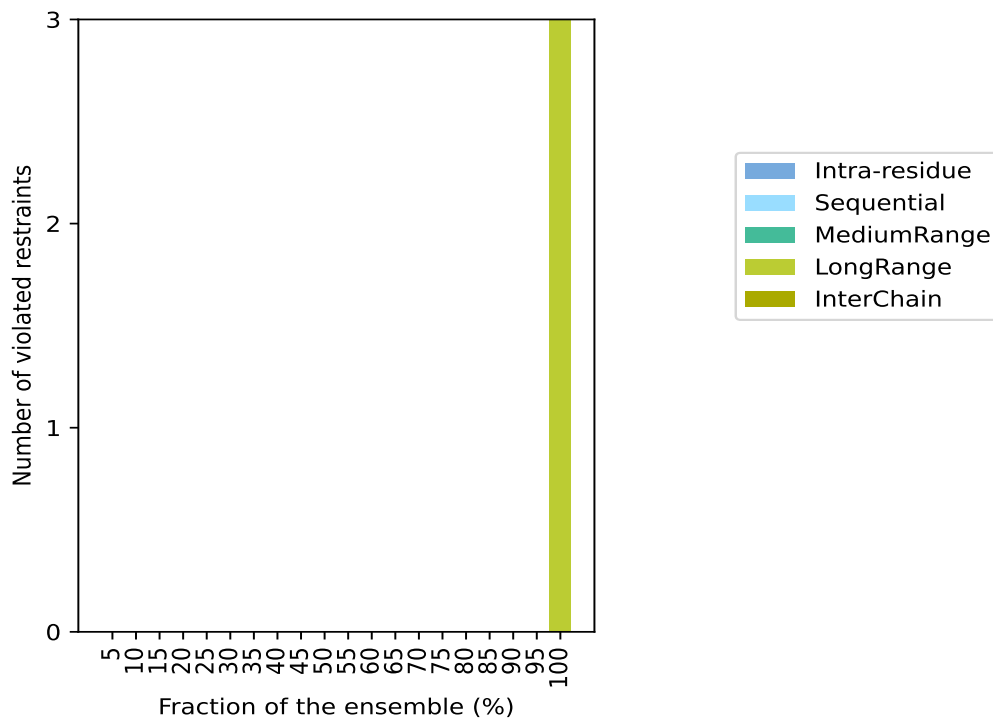
9.3 Distance violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 6(IR:0, SQ:1, MR:0, LR:5, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR ¹	SQ ²	MR ³	LR ⁴	IC ⁵	Total	Count ⁶	%
0	0	0	0	0	0	1	5.0
0	0	0	0	0	0	2	10.0
0	0	0	0	0	0	3	15.0
0	0	0	0	0	0	4	20.0
0	0	0	0	0	0	5	25.0
0	0	0	0	0	0	6	30.0
0	0	0	0	0	0	7	35.0
0	0	0	0	0	0	8	40.0
0	0	0	0	0	0	9	45.0
0	0	0	0	0	0	10	50.0
0	0	0	0	0	0	11	55.0
0	0	0	0	0	0	12	60.0
0	0	0	0	0	0	13	65.0
0	0	0	0	0	0	14	70.0
0	0	0	0	0	0	15	75.0
0	0	0	0	0	0	16	80.0
0	0	0	0	0	0	17	85.0
0	0	0	0	0	0	18	90.0
0	0	0	0	0	0	19	95.0
0	0	0	3	0	3	20	100.0

¹Intra-residue restraints, ²Sequential restraints, ³Medium range restraints, ⁴Long range restraints, ⁵Inter-chain restraints, ⁶ Number of models with violations

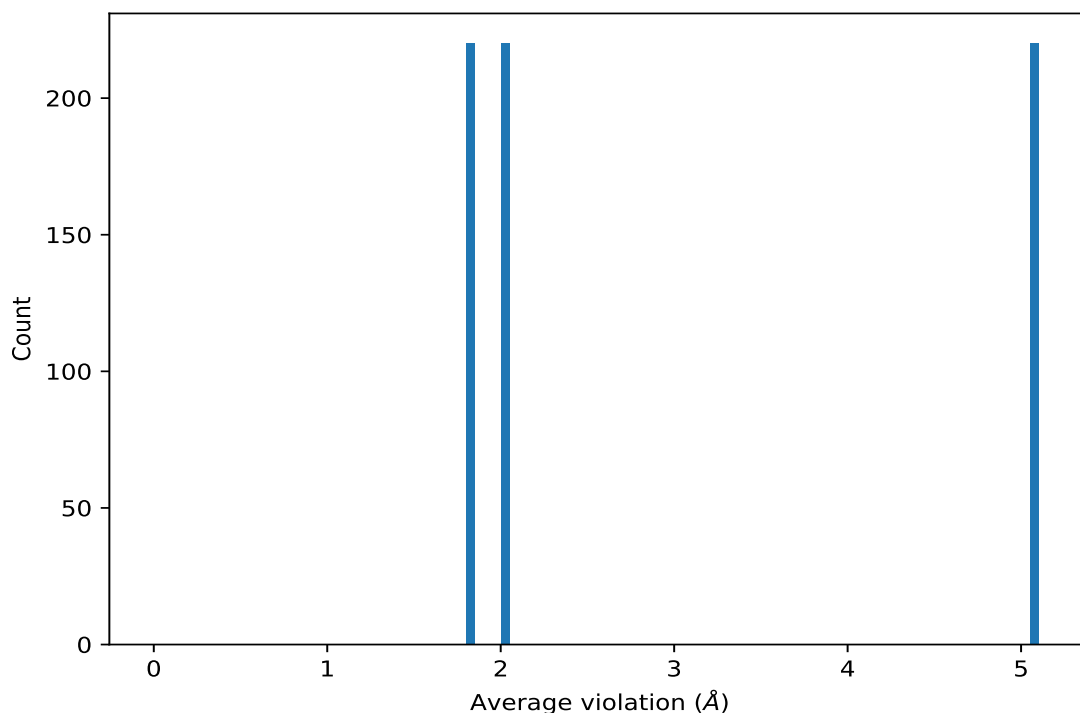
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble [i](#)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble [i](#)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints [i](#)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	5.06	0.29	4.95
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	5.06	0.29	4.95
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	2.05	0.26	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	2.05	0.26	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	2.05	0.26	2.06
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

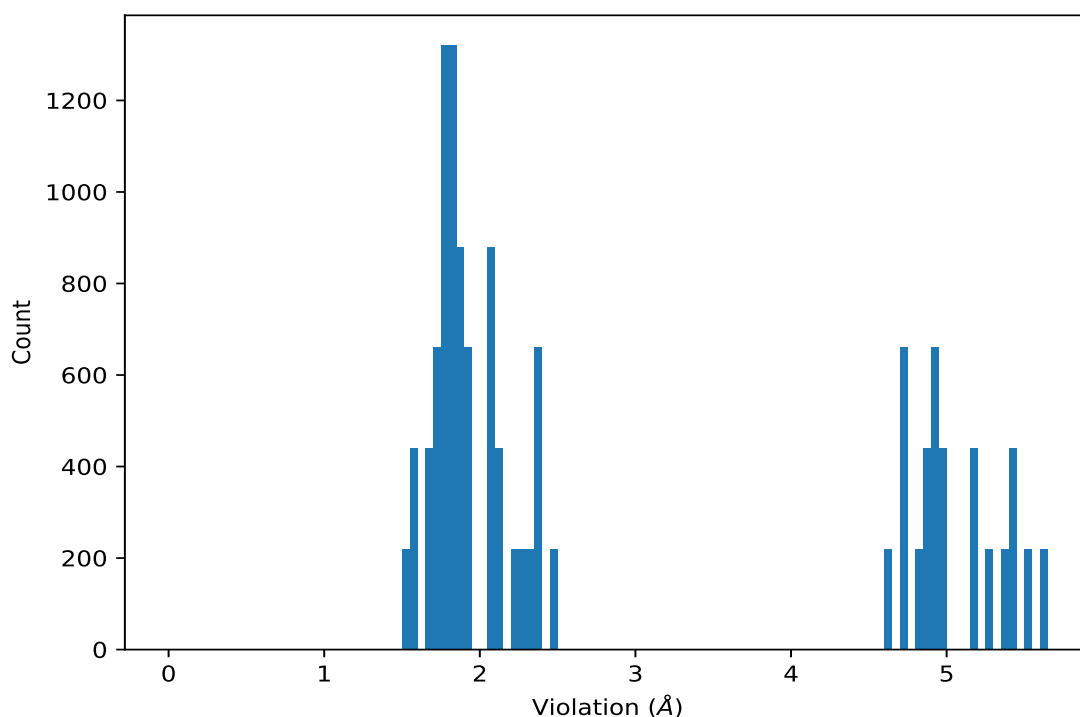
Key	Atom-1	Atom-2	Models ¹	Mean (Å)	SD ¹ (Å)	Median (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	1.8	0.14	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	1.8	0.14	1.81

¹Number of violated models, ²Standard deviation

9.5 All violated distance restraints [i](#)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations [i](#)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations [i](#)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	4	5.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	4	5.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	4	5.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	4	5.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	4	5.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	4	5.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	18	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	18	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	18	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	18	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	18	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	18	5.55
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	9	5.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	9	5.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	9	5.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	9	5.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	9	5.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	9	5.44
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	13	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	13	5.43
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	3	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	3	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	3	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	3	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	3	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	3	5.38
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	17	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	17	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	17	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	17	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	17	5.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	17	5.25
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	6	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	6	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	6	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	6	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	6	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	6	5.19
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	19	5.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	19	5.15
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	5	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	5	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	5	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	5	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	5	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	5	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	12	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	12	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	12	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	12	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	12	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	12	4.96
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	1	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	1	4.94
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	16	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	16	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	16	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	16	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	16	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	16	4.93
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	11	4.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	11	4.92
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	2	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	2	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	2	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	2	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	2	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	2	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	7	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	7	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	7	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	7	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	7	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	7	4.88
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	15	4.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	15	4.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	15	4.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	15	4.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	15	4.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	15	4.85
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	8	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	8	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	10	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	10	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	10	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	10	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	10	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	10	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	14	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	14	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	14	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	14	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	14	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	14	4.74
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	4.64
(1,7)	1:A:13:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	4.64
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	17	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	17	2.47
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	9	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	9	2.39
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	16	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	16	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	16	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	16	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	16	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	16	2.38
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	18	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	18	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	18	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	18	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	18	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	18	2.35
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	2	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	2	2.31
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	3	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	3	2.25
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	5	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	5	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	5	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	5	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	5	2.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	5	2.24
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	15	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	15	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	15	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	15	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	15	2.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	15	2.14
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	10	2.13
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	10	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	10	2.13
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	11	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	11	2.09
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	19	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	19	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	19	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	19	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	19	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	19	2.08
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	19	2.08
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	19	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	19	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	19	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	19	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	19	2.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	19	2.07
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	4	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	4	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	4	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	4	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	4	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	4	2.06
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	4	2.06
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	9	1.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	9	1.95
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	9	1.95
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	14	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	14	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	14	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	14	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	14	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	14	1.94
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	7	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	7	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	7	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	7	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	7	1.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	7	1.91
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	7	1.91
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	8	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	8	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	8	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	8	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	8	1.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	8	1.9
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	18	1.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	18	1.88
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	18	1.88
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	12	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	12	1.87
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	12	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	4	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	4	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	4	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	4	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	4	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	4	1.87
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	2	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	2	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	17	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	17	1.84
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	17	1.84
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	6	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	6	1.83
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	6	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	12	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	12	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	12	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	12	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	12	1.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	12	1.83
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	3	1.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	3	1.82
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	3	1.82
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	1	1.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	1	1.81
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	1	1.81
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	5	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	5	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	5	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	5	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	5	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	5	1.79
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	15	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	15	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	15	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	15	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	15	1.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	15	1.78
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	15	1.78
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	11	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	10	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	10	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	10	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	10	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	10	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	10	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	13	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	13	1.77
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	16	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	16	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	16	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	16	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	16	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	16	1.73
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	1	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	1	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	1	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	1	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	1	1.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	1	1.72
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	1	1.72
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	8	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	8	1.71
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	8	1.71
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	6	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	6	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	6	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	6	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	6	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	6	1.7
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	1.68
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	1.68
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:C	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	20	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	20	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:H	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	20	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	20	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	20	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:N	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:C	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:CB	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HA	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:HG	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:N	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:O	20	1.57
(1,8)	1:A:23:LYS:O	1:A:1:SER:OG	20	1.57
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	14	1.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	14	1.55
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:C	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CA	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CB	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB2	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CD	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CE	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:CG	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:H	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:HG	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HA	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB2	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HB3	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD2	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:O	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HD3	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE2	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HE3	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG2	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HG3	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:C	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ1	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ2	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:HZ3	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:N	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:CB	7	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:NZ	1:A:1:SER:OG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:C	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:CB	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HA	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB2	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HB3	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:HG	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:N	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:O	7	1.5
(1,6)	1:A:6:LYS:O	1:A:1:SER:OG	7	1.5

10 Dihedral-angle violation analysis

No dihedral-angle restraints found